DATA FOR EXERCISE 1

> Thunnus thynnus - Bluefin Tuna

CCTCTATCTAGTATTCGGTGCATGAGCTGGAATAGTTGGCACGGCCTTAAGCTTGCTCATCCGAGCTGAA

CTAAGCCAACCAGGTGCCCTTCTTGGGGACGACCAGATCTACAATGTAATCGTTACGGCCCATGCCTTCG

TAATGATTTTCTTTATAGTAATACCAATTATGATTGGAGGATTTGGAAACTGACTTATTCCTCTAATGAT

CGGAGCCCCCGACATGGCATTCCCACGAATGAACAACATGAGCTTCTGACTCCTTCCCCCTTCTTTCCTT

CTGCTCCTAGCTTCTTCAGGAGTTGAGGCTGGAGCCGGAACCGGTTGAACAGTCTACCCTCCCCTTGCCG

GCAACCTAGCCCACGCAGGGGCATCAGTTGACCTAACTATTTTCTCACTTCACTTAGCGGGGGTTTCCTC

AATTCTTGGGGCAATTAACTTCATCACAACAATTATCAATATGAAACCTGCAGCTATTTCTCAGTATCAA

ACACCACTGTTTGTATGAGCTGTACTAATTACAGCTGTTCTTCTCCTACTTTCCCTTCCAGTCCTTGCCG

CTGGTATTACAATGCTCCTTACAGACCGAAACCTAAATACAACCTTCTTCGACCCTGCAGGAGGGGGAGA

CCCAATCCTTTACCAACACCTA

> Seriola quinqueradiata - Yellowtail

TCGGTGCTGAGCCGGCATGGTCGGTACAGCTTTAAGTTTACTCATCCGAGCAGAACTTAGTCAACCCGGT

GCTCTTCTGGGAGACGATCAAATTTATAACGTAATCGTTACAGCGCACGCGTTTGTAATAATTTTCTTTA

TAGTAATGCCAATTATGATTGGAGGGTTTGGGAACTGACTCATCCCCTTAATGATCGGGGCTCCCGATAT

AGCATTCCCCCGAATAAACAACATGAGCTTCTGACTCCTTCCCCCTTCATTCCTCCTACTTCTGGCCTCT

TCAGGTGTTGAAGCCGGAGCTGGGACGGGTTGGACAGTCTACCCGCCCCTAGCCGGCAACCTTGCTCACG

CGGGAGCATCCGTAGACTTAACAATTTTCTCCCTTCATTTAGCTGGGATCTCCTCAATTCTGGGGGCTAT

TAACTTTATCACAACCATCATCAACATAAAACCCCATGCCGTCTCTATGTACCAAATTCCTCTATTCGTT

TGAGCTGTCCTGATTACGGCCGTGCTCCTGCTCCTGTCACTCCCAGTTTTAGCCGCCGGCATTACAATGC

TTCTGACAGACCGAAACTTAAATACTGCCTTCTTTGACCCAGCCGGAGGAGGGGACCCCATCCTATACCA

ACACCTATTCTGATTCTTTGGCCACCCAGA

> Oncorhynchus tshawytscha – King Salmon

AGTAGGCACCGCCCTTAGTCTACTGATTCGGGCAGAACTAAGCCAGCCGGGCGCTCTTCTAGGGGATGAC

CAGATCTATAACGTGATCGTTACAGCCCATGCCTTCGTTATGATTTTCTTTATAGTTATGCCGATTATGA

TCGGAGGCTTTGGAAACTGATTAATTCCCCTAATGATCGGGGCCCCTGATATGGCATTCCCTCGAATAAA

TAACATAAGCTTCTGACTCCTTCCACCATCCTTTCTCCTCCTCCTATCTTCCTCTGGAGTTGAAGCCGGA

GCTGGCACCGGGTGAACAGTCTACCCCCCTCTGGCCGGCAATCTAGCCCACGCAGGAGCCTCAGTTGATC

TGACGATCTTCTCCCTTCATTTAGCCGGGATCTCCTCAATTTTAGGAGCCATTAATTTTATTACTACCAT

TATTAACATAAAACCCCCGGCTATCTCTCAGTACCAAACCCCACTTTTTGTTTGAGCTGTACTAGTTACT

GCTGTCCTACTACTACTCTCCCTCCCCGTTCTGGCAGCAGGCATTACTATGTTACTCACGGACCGAAATC

TAAACACCACTTTCTTTGACCCGGCAGGCGGGGGAGATCCAATTTTATACCAGCACCTCTTTTGATTCTT

CGGCCACCCAGAAGTCTATATTCTTATCCTCCCAGGCTTTGGTATAATTTCACATATCGTTGCATACTAC

TCCGGTAAAAAAGAACCATTTGGGTACATGGGAATAGTCTGAGCTATAATAGCCATCGGATTGTTAGGAT

TTATCGTCTGAGCCCACCATATGTTCACTGTCGGAATAGACGTTGACACTCGTGCCTACTTTACATCTGC

CACCATGATTATCGCTATCCCCACAGGAGTAAAAGTATTTAGCTGACTAGCTACACTACACGGAGGCTCA

ATCAAATGAGAAACACCACTTCTTTGAGCCCTGGGGTTTATTTTCCTGTTTACAGTCGGTGGACTGACAG

GTATTGTCCTTGCTAACTCCTCATTAGACATTGTTCTACACGACACTTATTACGTAGTTGCTCATTTCCA

CTACGTACTATCCATGGGAGCTGTATTTGCCATCATAGGCGCTTTCGTACACTGATTCCCGCTATTCACA

GGGTACACACTTCACAGCACATGAACCAAAATCCATTTTGGAATTATATTTATTGGTGTAAATTTAACCT

TTTTCCCACAACAT

> Scomber scombrus – Atlantic Mackeral

GAACTGAGCCAACCAGGGTCCCTTCTCGGCGACGACCAAGTTTATAACGTAATTGTTACGGCCCATGCCT

TCATTATAATCTTCTTTTTAGTAATACCAGTCATGATTGGAGGGTTCGGAAACTGACTGATCCCCCTAAT

GATCGGAGCCCCCGATATAGCATTCCCCCGAATGAATAACATAAGCTTCTGACTTCTTCCCCCTTCTCTC

CTACTACTCCTGTCTTCTTCGGCAGTTGAAGCTGGAGCCGGAACTGGCTGAACAGTCTACCCCCCACTAG

CTGGTAACCTAGCGCATGCCGGGGCATCAGTTGACCTAACCATCTTCTCCCTTCACCTAGCAGGTGTTTC

CTCAATTCTTGGGGCCATTAACTTCATCACAACAATTATTAATATGAAACCTGCAGGTATCTCTCAATAC

CAAACCCCTCTGTTCGTCTGAGCAGTCCTAATTACAGCTGTTCTTCTACTCCTATCTCTGCCAGTCCTTG

CTGCCGGCATTACAATGCTTCTAACTGATCGAAATCTTAATACCACTTTCTTTGACCCCGGAGGAGGAGG

AGATCCTATTCTTTACCAACATCTA

> Hippoglossus hippoglossus – Atlantic Halibut

CCTCTATCTCGTATTTGGTGCCTGAGCCGGAATAGTGGGGACAGGCCTAAGTCTGCTTATTCGGGCAGAA

CTAAGCCAACCCGGGGCTCTCCTGGGAGACGACCAAATTTATAATGTGATCGTCACCGCACACGCCTTTG

TAATAATCTTTTTTATAGTAATACCCATTATGATTGGGGGGTTCGGAAACTGGCTTATTCCACTAATAAT

TGGGGCCCCAGACATGGCGTTCCCTCGAATGAATAATATGAGTTTCTGACTTCTTCCCCCCTCCTTTCTC

CTCCTCTTAGCCTCTTCAGGTGTTGAAGCCGGAGCAGGTACCGGATGAACCGTGTACCCCCCACTAGCTG

GCAATTTAGCCCACGCCGGGGCATCCGTAGACCTGACAATCTTCTCACTTCACCTTGCAGGAATTTCATC

AATTCTGGGGGCAATTAACTTTATTACTACCATCATTAACATGAAACCCACAACAGTCACTATGTACCAA

ATCCCGTTATTTGTTTGAGCCGTTCTTATTACAGCCGTACTTCTTCTTCTGTCCCTACCCGTTTTAGCCG

CAGGGATTACAATGCTACTAACAGACCGCAACCTTAACACGACCTTCTTTGACCCTGCCGGAGGAGGTGA

CCCCATTCTCTACCAACACCTA

> Thunnus alalunga - Albacore

TTGGCACGGCCTTAAGCTTGCTCATCCGAGCTGAACTAAGCCAACCAGGTGCCCTTCTTGGGGACGACCA

GATCTACAATGTAATCGTTACGGCCCATGCCTTCGTAATGATTTTCTTTATAGTAATACCAATTATGATT

GGAGGATTTGGAAACTGACTTATTCCTCTAATGATCGGAGCCCCCGACATGGCATTCCCACGAATGAACA

ACATGAGCTTCTGACTCCTTCCTCCCTCTTTCCTTCTGCTCCTAGCTTCTTCAGGAGTTGAGGCTGGGGC

CGGAACCGGTTGAACAGTCTACCCTCCCCTTGCCGGCAACCTAGCCCACGCAGGGGCATCAGTTGACCTA

ACTATTTTCTCACTTCACTTAGCAGGGGTTTCCTCAATTCTTGGGGCAATTAACTTCATCACAACAATTA

TCAATATGAAACCTGCAGCTATCTCTCAATATCAAACACCACTGTTTGTATGAGCTGTACTAATTACAGC

TGTTCTTCTTCTACTTTCCCTTCCAGTCCTTGCCGCTGGTATTACAATGCTCCTTACAGACCGAAACCTA

AATACAACCTTCTTCGACCCTGCAGGAGGGGGAGACCCAATCCTTTACCAGCATCTATTCTGATTCTTC

> Lepidocybium flavobrunneum - Escolar

CTCCTCATCCGAGCTGAACTAAGCCAACCAGGCGCCCTTCTCGGAAACGACCAGATTTATAATGTAATCG

TTACGGCACACGCCTTCGTAATAATCTTCTTTATAGTAATACCAGTTATGATCGGAGGATTTGGGAACTG

ACTTATCCCTCTAATAATTGGAGCCCCCGACATAGCATTCCCTCGAATGAATAACATAAGCTTTTGACTC

CTGCCTCCGTCCTTCCTCCTACTATTAGCCTCTTCAGGAGTTGAAGCCGGAGCTGGAACCGGGTGGACAG

TATACCCTCCCCTGGCCGGTAATCTAGCCCATGCTGGGGCATCCGTTGACCTAACTATTTTTTCCCTGCA

CTTAGCAGGGGTCTCCTCAATTCTCGGGGCCATTAATTTTATTACAACAATTATTAACATGAAGCCCGCA

GCCATCTCCCAATACCAAACACCCCTATTTGTATGGGCCGTTCTAATTACAGCCGTCCTACTTCTATTAT

CCCTCCCAGTCCTAGCTGCCGGAATTACAATACTACTCACAGACCGAAACCTTAACACAACCTTTTTTGA

CCCCGCAGGCGGGGGAGACCCAATCCTCTATCAACACTTATTC

> Lutjanus campechanus – Red Snapper

CCTTTATCTAGTATTTGGTGCCTGGGCCGGAATAGTAGGCACGGCCCTAAGCCTGCTCATTCGAGCAGAG

CTAAGCCAGCCAGGAGCTCTTCTTGGAGACGACCAGATTTATAATGTAATTGTTACAGCACACGCATTTG

TAATAATTTTCTTTATAGTAATACCAATCATGATCGGAGGATTCGGGAACTGACTGATCCCATTAATAAT

TGGAGCCCCTGATATGGCATTCCCCCGAATAAATAACATGAGCTTTTGACTCCTCCCCCCGTCATTCCTG

TTACTGCTCGCCTCTTCTGGAGTAGAAGCCGGTGCTGGAACTGGGTGGACAGTCTACCCGCCCCTAGCAG

GCAACCTAGCACACGCAGGAGCATCTGTAGACCTAACTATTTTCTCCCTACATCTGGCAGGTGTCTCCTC

AATTCTAGGGGCCATTAATTTCATCACAACGATCATTAACATGAAACCCCCTGCCATCTCCCAATATCAA

ACACCCCTATTCGTTTGAGCCGTCCTAATTACTGCTGTCCTACTCCTTCTCTCTCTGCCAGTTCTGGCGG

CCGGAATTACAATACTTCTCACGGACCGAAATCTAAACACAACCTTCTTTGACCCGGCAGGAGGAGGGGA

CCCCATCCTTTATCAACATCTG

> Coryphaena hippurus – Mahi-Mahi

TTAAAAATTTTAATTTTTTTGGTGTTTTAGCAGGAAAATGGGAACAGGCCTAAGTCTTCTCATTCGAGCT

GAGTTAGGCCAGCCGGGATCACTACTAGGGGATGACCAAACCTATAATGTCATCGTTACCGCCCATGCCT

TTGTAATAATTTTCTTTATGGTTATGCCAATTATAATCGGAGGCTTCGGAAACTGATTAATCCCCCTGAT

GCTTGGTGCTCCTGATATGGCCTTCCCTCGAATAAATAACAAAAGCTTTTGACTCCTTCCCCCTTCATTT

CTCTTCCTCCTAGCTTCTTCTGGGGTAGAACCTGGAGCTGGAACTGGTTGAACGGTCTACCCCCCCCTGG

CGGGTAACTTACCCCATGCTGGGGCCTCTGTAGATTTAACACTTTTCTCCCTTCATTTACCGGGTTATCA

TCAATTCTGGGGGCAATTAATTTTATTACAACTATTATTAATATAAAACCCCCCACCCATCTCATATATA

AATTCCATATTTGGTAAACTGTCCTATTACAGCTGTCCTCCACTCCTATCCTTCCTGTACTCCTGCCGGA

ATTACATGTTATTAACAGATCAAAATTTAAATACAGCTTTCTTTGACCCAGCGGGAGGAGGGGATCCTAT

CTCTATACCAACATCTGTTTTGATTCTTTGGCCACCCAAAATCATAAATAA

>Unknown 1

TGGNATCGGTGCCTGAGCCGGCATGGTCGGTACAGCTTTAAGTTTACTCATCCGAGCAGAACTTAGTCAA

CCCGGTGCTCTTCTGGGAGACGATCAAATTTATAACGTAATCGTTACAGCGCACGCGTTTGTAATAATTT

TCTTTATAGTAATGCCAATTATGATTGGAGGGTTTGGGAACTGACTCATCCCCTTAATGATCGGGGCTCC

CGATATAGCATTCCCCCGAATAAACAACATGAGCTTCTGACTCCTTCCCCCTTCATTCCTCCTACTTCTG

GCCTCTTCAGGTGTTGAAGCCGGAGCTGGGACGGGTTGGACAGTCTACCCGCCCCTAGCCGGCAACCTTG

CTCACGCGGGAGCATCCGTAGACTTAACAATTTTCTCCCTTCATTTAGCTGGGATCTCCTCAATTCTGGG

GGCTATTAACTTTATCACAACCATCATCAACATAAAACCCCATGCCGTCTCTATGTACCAAATTCCTCTA

TTCGTTTGAGCTGTCCTGATTACGGCCGTGCTCCTGCTCCTGTCACTCCCAGTTTTAGCCGCCGGCATTA

CAATGCTTCTGACAGACCGAAACTTAAATACTGCCTTCTTTGACCCAGCCGGAGGAGGGGACCCCATCCT

ATACCAACACCTATTCTGATTCTTTGGCCACCCAGAAGTCTA

>Unknown 2

GGTGCATGAGCTGGAATAGTTGGCACGGCCTTAAGCTTGCTCATCCGAGCTGAACTTAGCCAACCAGGTG

CCCTTCTTGGGGACGACCAGATCTACAATGTAATCGTTACGGCCCATGCCTTCGTAATGATTTTCTTTAT

AGTAATACCAATTATGATTGGAGGATTTGGAAACTGACTTATTCCTCTAATGATCGGAGCCCCCGACATG

GCATTCCCACGAATGAACAACATGAGCTTCTGACTCCTTCCCCCCTCTTTCCTTCTGCTCCTAGCTTCTT

CAGGAGTTGAGGCTGGAGCCGGAACCGGTTGAACAGTCTACCCTCCCCTTGCCGGCAACCTGGCCCACGC

AGGGGCATCAGTTGACCTAACTATTTTCTCACTTCACTTAGCAGGGGTTTCCTCAATTCTTGGGGCAATT

AACTTCATCACAACAATTATCAATATGAAACCTGCAGCTATTTCTCAGTATCAAACACCACTGTTTGTAT

GAGCTGTACTAATTACAGCTGTTCTTCTCCTACTTTCCCTTCCAGTCCTTGCCGCTGGTATTACAATGCT

CCTTACAGACCGAAACCTAAATACAACCTTCTTCGACCCTGCAGGAGGGGGAGACCCAATCCTTTACCAA

CACC

>Unknown 3

CCTTTACCTTGTATTTGGTGCCTGAGCCGGAATAGTGGGTACCGCCCTTAGCCTGCTTATCCGGGCGGAA

TTAGCCCAACCCGGCGCCCTTCTAGGCGATGACCAAATTTACAATGTTATTGTTACTGCTCACGCCTTTG

TAATAATTTTCTTTATAGTAATACCAATTATGATTGGAGGGTTTGGAAACTGGCTTGTTCCCCTAATGAT

CGGAGCGCCAGATATGGCCTTCCCTCGAATGAACAACATAAGCTTCTGGCTCCTGCCCCCCTCCTTCCTA

CTTCTGCTCGCCTCCTCCGGAGTTGAAGCAGGAGCAGGAACAGGGTGAACTGTATACCCGCCTCTTGCCG

GCAACCTCGCACATGCAGGGGCCTCCGTAGATTTAACTATCTTTTCCCTTCATCTTGCAGGAGTTTCATC

TATTCTTGGGGCCATTAACTTTATTACAACAATTATTAATATGAAGCCCCCCGCAATCTCACAATATCAA

ACCCCCCTATTTGTCTGAGCCGTCCTAATTACAGCCGTCCTCCTACTACTATCCCTCCCAGTTTTAGCCG

CTGGTATCACAATGCTTCTAACAGACCGAAACTTAAATACTACCTTCTTTGACCCTGCAGGGGGAGGCGA

CCCCATTCTTTACCAACACCTTTTC

DATA FOR EXERCISE 2

>Fish1\_Unknown\_Gut\_contents

ATGCAACGATGATTCTTTTCTACAAATCATAAAGACATTGGTACATTATATTTCATTTTTGGAGCATGAT

CTGGGATAGTAGGTACATCACTTAGTTTAATCATTCGAGCTGAACTAGGACAACCTGGAACCCTTATTGG

AAACGACCAAATTTATAACGTTGTAGTCACAGCTCACGCCTTTGTTATAATTTTCTTCATGGTTATACCT

ATTATAATTGGAGGATTTGGTAATTGACTAGTTCCTCTTATACTAGGAGCTCCTGATATAGCCTTCCCAC

GAATAAATAACATAAGATTCTGACTCCTACCTCCATCACTAACTCTATTACTAATAAGGGGTATAGTCGA

AAGTGGAGTTGGTACAGGATGAACTGTTTACCCTCCCCTTGCTGCCGCTATTGCTCACGCAGGGGCCTCA

GTTGATCTTGGTATTTTCTCTCTCCACTTAGCTGGTGTATCATCAATTCTAGGGGCTGTTAACTTTATAA

CTACCGTTATTAATATACGTTCATTTGGTATAAGAATAGACCAAATACCTTTATTCGTTTGATCTGTATT

TATTACCGCTATTCTTCTACTTCTTTCTCTACCTGGATTAGCAGGTGCTATTACTATACTTCTCACTGAT

CGAAACTTAAATACCTCATTCTTCGACCCAGCTGGAGGAGGCGACCCTGTTCTCTACCAACATCTATTCT

GATTTTTCGGGCATCCTGAAGTTTATATTCTTATTTTACCTGCCTTCGGTATAATTTCTCACATTGTGAG

ACAAGAATCAGGTAAAAAAGAATCCTTCGGAACATTAGGCATGATCTATGCTATAATGGCTATTGGTATT

TTAGGATTCATTGTATGAGCCCACCATATGTTTACTGTTGGTATAGACGTAGATACCCGAGCATATTTTA

CTTCCGCTACTATAATCATTGCAGTGCCCACTGGTATTAAAATTTTTAGATGACTTAGAACCCTTCATGG

AACACAAATCAATTATAGACCCTCAATACTTTGAGCTTTAGGTTTTATTTTCCTATTTACTGTAGGAGGG

CTTACTGGAGTAGTACTTGCCAACTCTTCAATTGATATTATCTTACACGACACTTATTATGTAGTCGCCC

ACTTCCACTACGTTCTATCCATGGGTGCTGTATTCGGAATTTTCGCCGGTATCGCTCACTGATTCCCCTT

ATTCACAGGGATATCATTAAATCCTAAGTGAATGAAAATCCACTTTGCCATTATGTTCATTGGAGTAAAT

GTTACATTCTTCCCCCAACACTTCCTAGGGCTTAACGGTATACCTCGTCGATACTCAGACTACCCAGATG

CCTATACTACATGAAACGTAGTATCATCCATAGGATCTATAGTATCTCTTATTGCTATGCTAATCTTTAT

AATTATCATCTGAGAAGCACTTATTTCAAATCGTCCTGTTATATTTTCCCCTTTCCTTCCATCATCCATT

GAATGAAACCACTCTTACCCACCAGCTGATCATTCTTATATAGAAATCCCTCTTATCACTAACT

>Fish2\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTATCTTATTTTCGGTGCCTGAGCAGGAATAGTAGGGACAGCACTTAGCCTCCTTATTCGAGCAGAA

CTAAGCCAACCAGGAGCACTTCTGGGGGACGATCAGATTTACAATGTAATTGTGACTGCTCACGCATTTG

TAATAATCTTTTTTATAGTAATGCCTATCCTAATCGGTGGGTTCGGGAACTGACTGGTCCCCTTAATACT

AGGGGCCCCAGACATAGCATTCCCTCGAATAAATAACATGAGCTTTTGACTCCTTCCTCCATCATTTCTA

CTTCTTCTTGCATCATCTGGGGTTGAAGCAGGGGCCGGAACGGGGTGAACAGTTTACCCCCCTCTAGCAG

GAAATTTAGCCCATGCAGGAGCGTCAGTAGATCTAACAATCTTCTCTCTCCACCTAGCAGGTATCTCATC

AATCTTAGGTGCCATCAACTTTATTACCACTATCATTAACATGAAACCGCCTGCAATCTCACAATATCAG

ACACCTTTATTTGTCTGAGCCGTGTTAATTACAGCAGTACTTTTACTTCTTTCACTTCCTGTTCTAGCTG

CCGGGATTACTATGCTTCTTACAGATCGAAATCTAAATACCACCTTCTTCGACCCAGCAGGGGGAGGAGA

TCCCATTCTTTATCAACACCTATTC

>Fish3\_Unknown\_Gut\_contents

CCTTTACCTAGTATTTGGTGCCTGAGCAGGGATAGTAGGCACTGCCTTAAGTCTCTTAATCCGAGCAGAA

CTGAGCCAACCCGGGGCACTTCTCGGAGACGATCAGATCTATAACGTCATCGTTACGGCGCACGCCTTCG

TAATAATCTTCTTCATAGTAATGCCAATTCTAATTGGTGGCTTTGGGAACTGACTAGTCCCCCTTATGAT

CGGGGCACCAGACATGGCATTCCCGCGAATGAACAACATGAGCTTCTGACTACTTCCGCCCTCATTCCTC

CTTCTCCTTGCCTCATCCGGGGTTGAGGCCGGGGCAGGAACCGGATGAACAGTCTACCCGCCCTTGGCAG

GCAATCTTGCCCACGCCGGAGCGTCCGTCGATCTAACTATCTTCTCTCTCCATCTAGCAGGTATCTCATC

AATTCTTGGGGCCATTAATTTTATTACCACAATTATTAATATGAAACCCCCTGCAATCTCACAATATCAA

ACACCCCTATTCGTGTGATCCGTGCTCGTAACGGCCGTTCTCCTTCTTCTCTCACTCCCTGTGTTAGCTG

CTGGGATTACAATGCTCCTAACAGACCGAAATCTAAATACGACCTTCTTTGACCCGGCAGGGGGAGGGGA

CCCAATTCTATATCAACACCTATTC

>Fish4\_Unknown\_Gut\_contents

AACATTATATTTTATATTTGGTGCTTGAGCAGGTATACTAGGAACCTCATTAAGACTTTTAATTCGGTTA

GAACTAAGACAAACTGGAAGTTTATTAGGAAATGACCATATTTATAACGTAATTGTAACCGCACATGCAT

TTGTAATAATTTTTTTCATAGTTATACCTATTATAATTGGAGGATTTGGAAACTGATTAATTCCATTAAT

ATTAGGAGCCCCAGATATAGCTTTCCCTCGAATAAATAATATGAGATTTTGACTTTTACCCCCTTCTTTA

ACTTTATTACTAGTAGGAGGAATAGTAGAAAGAGGAGTTGGTACTGGATGAACTGTGTACCCTCCTTTAT

CTTCAAATATTTCCCATTTAGGGTCTGCTGTGGATCTAAGAATTTTTTCTCTTCATTTAGCTGGAGCTTC

TTCTATTTTAGGTGCTATTAATTTTATTACAACAATTGTTAATATAAAACCATTATATATGGAATTTGAT

TCTATACCATTATTTGTGTGATCAGTATTAATTACAGCAGTACTTTTATTACTATCTTTACCTGTGTTAG

CTGGGGCTATCACTATATTACTTACAGATCGAAATCTTAATACATCATTCTTTGACCCTTTAGGAGGTGG

GGATCCTATCTTATATCAACATTTATTT

>Fish5\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTACCTGGTATTTGGTGCCTGAGCAGGGATAGTAGGCACTGCCTTAAGTCTCTTAATCCGAGCAGAA

CTGAGTCAACCCGGGGCACTCCTCGGGGACGATCAGATCTACAATGTTATCGTTACGGCGCACGCCTTCG

TAATAATCTTCTTCATAGTAATGCCAATTCTAATTGGCGGCTTTGGGAACTGACTGGTCCCCCTAATGAT

CGGGGCACCAGACATGGCATTCCCGCGAATGAACAACATGAGCTTCTGACTCCTTCCCCCCTCATTCCTC

CTCCTCCTTGCCTCATCTGGAGTTGAAGCAGGGGCAGGGACCGGATGAACAGTCTACCCACCTTTGGCAG

GCAATCTAGCCCACGCCGGAGCATCGGTCGACCTAACTATTTTCTCCCTCCATCTAGCAGGTATTTCATC

CATTCTTGGGGCCATTAATTTCATTACTACGATTATTAATATGAAACCCCCTGCAATCTCACAATACCAA

ACACCGCTATTTGTGTGATCCGTACTTGTAACAGCTGTTCTTCTTCTCCTTTCACTCCCTGTCTTAGCTG

CTGGGATCACAATGCTGCTAACAGATCGAAATCTTAATACGACCTTCTTCGACCCGGCAGGAGGAGGGGA

TCCAATTTTATATCAACACCTGTTC

>Fish6\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTATCTTATTTTCGGTGCCTGAGCAGGAATAGTAGGGACAGCACTTAGCCTCCTTATTCGAGCAGAA

CTAAGCCAACCAGGAGCACTTCTGGGGGACGATCAGATTTACAATGTAATTGTGACTGCTCACGCATTTG

TAATAATCTTTTTTATAGTAATGCCTATCCTAATCGGTGGGTTCGGGAACTGACTGGTCCCCTTAATACT

AGGGGCCCCAGACATAGCATTCCCTCGAATAAATAACATGAGCTTTTGACTCCTTCCTCCATCATTTCTA

CTTCTTCTTGCATCATCTGGGGTTGAAGCAGGGGCCGGAACGGGGTGAACAGTTTACCCCCCTCTAGCAG

GAAATTTAGCCCATGCAGGAGCGTCAGTAGATCTAACAATCTTCTCTCTCCACCTAGCAGGTATCTCATC

AATCTTAGGTGCCATCAACTTTATTACCACTATCATTAACATGAAACCGCCTGCAATCTCACAATATCAG

ACACCTTTATTTGTCTGAGCCGTGTTAATTACAGCAGTACTTTTACTTCTTTCACTTCCTGTTCTAGCTG

CCGGGATTACTATGCTTCTTACAGATCGAAATCTAAATACCACCTTCTTCGACCCAGCAGGGGGAGGAGA

TCCCATTCTTTATCAACACCTATTC

>Fish7\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTACCTGGTATTTGGTGCCTGAGCAGGGATAGTAGGCACTGCCTTAAGTCTCTTAATCCGAGCAGAA

CTGAGTCAACCCGGGGCACTCCTCGGGGACGATCAGATCTACAATGTTATCGTTACGGCGCACGCCTTCG

TAATAATCTTCTTCATAGTAATGCCAATTCTAATTGGCGGCTTTGGGAACTGACTGGTCCCCCTAATGAT

CGGGGCACCAGACATGGCATTCCCGCGAATGAACAACATGAGCTTCTGACTCCTTCCCCCCTCATTCCTC

CTCCTCCTTGCCTCATCTGGAGTTGAAGCAGGGGCAGGGACCGGATGAACAGTCTACCCACCTTTGGCAG

GCAATCTAGCCCACGCCGGAGCATCGGTCGACCTAACTATTTTCTCCCTCCATCTAGCAGGTATTTCATC

CATTCTTGGGGCCATTAATTTCATTACTACGATTATTAATATGAAACCCCCTGCAATCTCACAATACCAA

ACACCGCTATTTGTGTGATCCGTACTTGTAACAGCTGTTCTTCTTCTCCTTTCACTCCCTGTCTTAGCTG

CTGGGATCACAATGCTGCTAACAGATCGAAATCTTAATACGACCTTCTTCGACCCGGCAGGAGGAGGGGA

TCCAATTTTATATCAACACCTGTTC

>Fish8\_Unknown\_Gut\_contents

CCTNTATNTCATATTTGGTGCCTGAGCCGGAATAGTGGGAACAGCCNTGAGTTTACTCATTCGGGCAGAA

NTTAGCCAACCCGGCGCCCTGCTAGGGGACGACCAGATTTATAACGTAATCGTTACTGCACACGCCTTNG

TAATAATCTTTTTTATGGTAATACCAATTATAATCGGAGGGTTTGGGAACTGGCTTATTCCCCTCATAAT

TGGTGCCCCAGATATAGCATTTCCTCGAATAAACAATATAAGCTTTTGACTATTACCTCCTTCATTCCTT

CTTCTTTTAGCTTCCTCGGGTGTTGAAGCTGGTGCCGGTACCGGATGAACTGTCTACCCTCCTTTAGCCA

GCAACCTGGCTCATGCCGGAGCCTCGGTAGATCTAACTATCTTTTCACTTCACCTTGCAGGTATCTCGTC

AATTCTAGGAGCTATCAACTTCATTACTACCATCATTAATATAAAACCAACGACTATGACTATATACCAA

ATACCCTTATTTATTTGGGCCGTACTGATTACAGCTGTCCTCTTACTCCTCTCTCTGCCAGTCCTAGCCG

CTGGCATTACAATACTGCTGACGGACCGGAACCTGAATACAACCTTCTTTGACCCTGCAGGAGGGGGCGA

CCCAATTCTCTACCAACACCTA

>Fish9\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTACCTGATTTTTGGTGCATGAGCCGGAATAGTAGGCACAGCCTTGAGCCTCCTAATCCGAGCAGAG

CTTAGCCAACCTGGCTCACTCCTCGGAGATGACCAGATTTATAACGTAATCGTTACAGCACATGCCTTCG

TTATAATTTTCTTTATAGTAATGCCCATCATGATTGGAGGGTTTGGCAACTGACTCATTCCACTAATGAT

CGGAGCCCCCGACATGGCATTTCCTCGAATGAATAATATGAGCTTCTGACTCCTCCCTCCTTCCTTCCTT

CTGCTCCTTACCTCTTCAGGGGTAGAGGCAGGGGCCGGAACAGGGTGAACAGTCTATCCCCCACTCGCCG

GGAACCTTGCACACGCAGGTGCTTCCGTCGACCTGGCCATTTTCTCCCTACACCTCGCAGGTGTTTCATC

AATTCTAGGGGCCATTAATTTTATTACAACCATCGTTAACATGAAACCTCCTGCCATCTCGCAGTACCAG

ACACCTTTATTTGTATGAGCCGTGCTAATTACGGCCGTCCTTCTCCTACTTTCACTCCCTGTATTAGCTG

CTGGCATTACAATGCTTCTTACAGACCGCAACCTAAACACAACCTTCTTCGATCCCGCAGGAGGGGGTGA

TCCCATTCTTTATCAACACTTATTC

>Fish10\_Unknown\_Gut\_contents

CCTTTACCTAGTATTTGGTGCCTGAGCAGGGATAGTAGGCACTGCCTTAAGTCTCTTAATCCGAGCAGAA

CTGAGCCAACCCGGGGCACTTCTCGGAGACGATCAGATCTATAACGTCATCGTTACGGCGCACGCCTTCG

TAATAATCTTCTTCATAGTAATGCCAATTCTAATTGGTGGCTTTGGGAACTGACTAGTCCCCCTTATGAT

CGGGGCACCAGACATGGCATTCCCGCGAATGAACAACATGAGCTTCTGACTACTTCCGCCCTCATTCCTC

CTTCTCCTTGCCTCATCCGGGGTTGAGGCCGGGGCAGGAACCGGATGAACAGTCTACCCGCCCTTGGCAG

GCAATCTTGCCCACGCCGGAGCGTCCGTCGATCTAACTATCTTCTCTCTCCATCTAGCAGGTATCTCATC

AATTCTTGGGGCCATTAATTTTATTACCACAATTATTAATATGAAACCCCCTGCAATCTCACAATATCAA

ACACCCCTATTCGTGTGATCCGTGCTCGTAACGGCCGTTCTCCTTCTTCTCTCACTCCCTGTGTTAGCTG

CTGGGATTACAATGCTCCTAACAGACCGAAATCTAAATACGACCTTCTTTGACCCGGCAGGGGGAGGGGA

CCCAATTCTATATCAACACCTATTC

>Fish11\_Unknown\_Gut\_contents

CCTNTATNTCATATTTGGTGCCTGAGCCGGAATAGTGGGAACAGCCNTGAGTTTACTCATTCGGGCAGAA

NTTAGCCAACCCGGCGCCCTGCTAGGGGACGACCAGATTTATAACGTAATCGTTACTGCACACGCCTTNG

TAATAATCTTTTTTATGGTAATACCAATTATAATCGGAGGGTTTGGGAACTGGCTTATTCCCCTCATAAT

TGGTGCCCCAGATATAGCATTTCCTCGAATAAACAATATAAGCTTTTGACTATTACCTCCTTCATTCCTT

CTTCTTTTAGCTTCCTCGGGTGTTGAAGCTGGTGCCGGTACCGGATGAACTGTCTACCCTCCTTTAGCCA

GCAACCTGGCTCATGCCGGAGCCTCGGTAGATCTAACTATCTTTTCACTTCACCTTGCAGGTATCTCGTC

AATTCTAGGAGCTATCAACTTCATTACTACCATCATTAATATAAAACCAACGACTATGACTATATACCAA

ATACCCTTATTTATTTGGGCCGTACTGATTACAGCTGTCCTCTTACTCCTCTCTCTGCCAGTCCTAGCCG

CTGGCATTACAATACTGCTGACGGACCGGAACCTGAATACAACCTTCTTTGACCCTGCAGGAGGGGGCGA

CCCAATTCTCTACCAACACCTA

>Fish12\_Unknown\_Gut\_contents

CACCCTCTACCTGGTATTTGGTGCTTGAGCAGGAATGGTCGGAACAGCCCTAAGTCTCCTTATCCGGGCC

GAACTGAGCCAACCGGGCTCTCTTCTGGGAGACGACCAAATTTATAATGTAATCGTCACCGCACATGCCT

TCGTAATAATCTTCTTTATAGTAATACCAATTATGATTGGGGGCTTTGGAAACTGACTAATTCCCCTAAT

GATCGGGGCCCCTGATATGGCTTTCCCCCGAATGAACAATATGAGCTTCTGACTCCTCCCCCCATCGTTC

CTCCTTCTCCTTGCCTCTTCAGGCGTTGAAGCCGGGGCAGGAACTGGGTGAACTGTTTATCCCCCCCTGT

CTGGGAACCTCGCCCACGCTGGAGCGTCCGTGGATCTAACCATCTTCTCTCTTCATCTAGCAGGTGTCTC

ATCCATCCTGGGGGCTATCAATTTTATTACTACCATTGTTAACATGAAACCTCCAGCAATCTCACAGTAC

CAGACCCCCTTATTCGTCTGAGCTGTGCTGATCACTGCTGTGCTTCTCCTCCTCTCCCTCCCTGTCCTTG

CTGCTGGCATCACCATGCTACTCACAGACCGAAACCTAAACACCACATTCTTTGACCCTGCAGGAGGGGG

AGACCCAATCCTCTACCAACACCTC

>Fish13\_Unknown\_Gut\_contents\_Gut\_contents

CCTCTACCTGGTATTTGGTGCCTGAGCAGGGATAGTAGGCACTGCCTTAAGTCTCTTAATCCGAGCAGAA

CTGAGTCAACCCGGGGCACTCCTCGGGGACGATCAGATCTACAATGTTATCGTTACGGCGCACGCCTTCG

TAATAATCTTCTTCATAGTAATGCCAATTCTAATTGGCGGCTTTGGGAACTGACTGGTCCCCCTAATGAT

CGGGGCACCAGACATGGCATTCCCGCGAATGAACAACATGAGCTTCTGACTCCTTCCCCCCTCATTCCTC

CTCCTCCTTGCCTCATCTGGAGTTGAAGCAGGGGCAGGGACCGGATGAACAGTCTACCCACCTTTGGCAG

GCAATCTAGCCCACGCCGGAGCATCGGTCGACCTAACTATTTTCTCCCTCCATCTAGCAGGTATTTCATC

CATTCTTGGGGCCATTAATTTCATTACTACGATTATTAATATGAAACCCCCTGCAATCTCACAATACCAA

ACACCGCTATTTGTGTGATCCGTACTTGTAACAGCTGTTCTTCTTCTCCTTTCACTCCCTGTCTTAGCTG

CTGGGATCACAATGCTGCTAACAGATCGAAATCTTAATACGACCTTCTTCGACCCGGCAGGAGGAGGGGA

TCCAATTTTATATCAACACCTGTTC

>Fish14\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTATCTTATTTTCGGTGCCTGAGCAGGAATAGTAGGGACAGCACTTAGCCTCCTTATTCGAGCAGAA

CTAAGCCAACCAGGAGCACTTCTGGGGGACGATCAGATTTACAATGTAATTGTGACTGCTCACGCATTTG

TAATAATCTTTTTTATAGTAATGCCTATCCTAATCGGTGGGTTCGGGAACTGACTGGTCCCCTTAATACT

AGGGGCCCCAGACATAGCATTCCCTCGAATAAATAACATGAGCTTTTGACTCCTTCCTCCATCATTTCTA

CTTCTTCTTGCATCATCTGGGGTTGAAGCAGGGGCCGGAACGGGGTGAACAGTTTACCCCCCTCTAGCAG

GAAATTTAGCCCATGCAGGAGCGTCAGTAGATCTAACAATCTTCTCTCTCCACCTAGCAGGTATCTCATC

AATCTTAGGTGCCATCAACTTTATTACCACTATCATTAACATGAAACCGCCTGCAATCTCACAATATCAG

ACACCTTTATTTGTCTGAGCCGTGTTAATTACAGCAGTACTTTTACTTCTTTCACTTCCTGTTCTAGCTG

CCGGGATTACTATGCTTCTTACAGATCGAAATCTAAATACCACCTTCTTCGACCCAGCAGGGGGAGGAGA

TCCCATTCTTTATCAACACCTATTC

>Fish15\_Unknown\_Gut\_contents

ACACGTTGATTTTTCTCAACTAATCACAAAGATATTGGTACCCTTTACCTAGTATTTGGTGCCTGAGCAG

GAATGGTGGGCACAGCCCTAAGTCTCCTAATCCGTGCAGAACTTAGCCAACCTGGGGCTCTCCTTGGAGA

CGACCAGATCTATAATGTTATTGTTACTGCACATGCCTTCGTAATAATTTTCTTTATAGTAATGCCGATT

CTAATTGGAGGGTTTGGAAACTGACTAATTCCTCTTATGATCGGAGCGCCAGATATGGCATTCCCTCGAA

TAAACAATATGAGCTTCTGACTACTTCCCCCCTCATTCCTCCTACTACTAGCCTCCTCCGGAGTTGAAGC

CGGGGCGGGGACCGGGTGAACGGTATATCCTCCTCTGTCAGGAAATCTGGCCCATGCAGGAGCATCAGTT

GACCTAACCATTTTTTCACTTCATCTAGCAGGTATTTCCTCTATTCTAGGGGCCATTAATTTCATTACCA

CAATTATTAATATGAAACCACCCGCAATCTCACAATACCAAACGCCTCTGTTTGTCTGATCCGTTCTTGT

TACAGCTGTTCTACTTCTTCTATCGCTGCCTGTGCTAGCTGCCGGAATTACAATGCTTCTTACAGATCGA

AACCTAAACACCACCTTCTTCGACCCAGCAGGAGGGGGAGACCCAATTCTTTACCAACACCTATTCTGAT

TTTTCGGACACCCGGAAGTATATATTCTAA

>Fish16\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTATCTTATTTTCGGTGCCTGAGCAGGAATAGTAGGGACAGCACTTAGCCTCCTTATTCGAGCAGAA

CTAAGCCAACCAGGAGCACTTCTGGGGGACGATCAGATTTACAATGTAATTGTGACTGCTCACGCATTTG

TAATAATCTTTTTTATAGTAATGCCTATCCTAATCGGTGGGTTCGGGAACTGACTGGTCCCCTTAATACT

AGGGGCCCCAGACATAGCATTCCCTCGAATAAATAACATGAGCTTTTGACTCCTTCCTCCATCATTTCTA

CTTCTTCTTGCATCATCTGGGGTTGAAGCAGGGGCCGGAACGGGGTGAACAGTTTACCCCCCTCTAGCAG

GAAATTTAGCCCATGCAGGAGCGTCAGTAGATCTAACAATCTTCTCTCTCCACCTAGCAGGTATCTCATC

AATCTTAGGTGCCATCAACTTTATTACCACTATCATTAACATGAAACCGCCTGCAATCTCACAATATCAG

ACACCTTTATTTGTCTGAGCCGTGTTAATTACAGCAGTACTTTTACTTCTTTCACTTCCTGTTCTAGCTG

CCGGGATTACTATGCTTCTTACAGATCGAAATCTAAATACCACCTTCTTCGACCCAGCAGGGGGAGGAGA

TCCCATTCTTTATCAACACCTATTC

>Fish17\_Unknown\_Gut\_contents

CCTTTACCTAGTATTTGGTGCCTGAGCAGGGATAGTAGGCACTGCCTTAAGTCTCTTAATCCGAGCAGAA

CTGAGCCAACCCGGGGCACTTCTCGGAGACGATCAGATCTATAACGTCATCGTTACGGCGCACGCCTTCG

TAATAATCTTCTTCATAGTAATGCCAATTCTAATTGGTGGCTTTGGGAACTGACTAGTCCCCCTTATGAT

CGGGGCACCAGACATGGCATTCCCGCGAATGAACAACATGAGCTTCTGACTACTTCCGCCCTCATTCCTC

CTTCTCCTTGCCTCATCCGGGGTTGAGGCCGGGGCAGGAACCGGATGAACAGTCTACCCGCCCTTGGCAG

GCAATCTTGCCCACGCCGGAGCGTCCGTCGATCTAACTATCTTCTCTCTCCATCTAGCAGGTATCTCATC

AATTCTTGGGGCCATTAATTTTATTACCACAATTATTAATATGAAACCCCCTGCAATCTCACAATATCAA

ACACCCCTATTCGTGTGATCCGTGCTCGTAACGGCCGTTCTCCTTCTTCTCTCACTCCCTGTGTTAGCTG

CTGGGATTACAATGCTCCTAACAGACCGAAATCTAAATACGACCTTCTTTGACCCGGCAGGGGGAGGGGA

CCCAATTCTATATCAACACCTATTC

>Fish18\_Unknown\_Gut\_contents

CCTATATCTAGTATTTGGCGCTTGAGCTGGTATAGTCGGCACTGCTTTAAGCCTTCTTATTCGAGCAGAG

CTGAGCCAACCGGGCGCCCTCCTTGGCGACGATCAGATCTATAATGTGATCGTTACCGCACACGCATTTG

TAATAATCTTTTTTATAGTTATACCAATTATGATTGGAGGGTTTGGAAACTGACTAATCCCTTTAATGAT

TGGGGCGCCAGACATGGCATTCCCCCGAATAAACAACATGAGTTTTTGACTACTTCCTCCATCTTTCCTT

CTCCTTCTGGCCTCTTCTGGTGTCGAAGCTGGAGCCGGAACCGGCTGAACCGTCTATCCCCCACTTGCAA

GTAACCTTGCACACGCAGGAGCATCCGTAGATTTAACAATTTTCTCCCTCCATCTGGCCGGGATTTCCTC

GATTTTAGGGGCCATTAATTTTATTACAACTATTATTAACATGAAGCCCCCCGCTATCTCCCAATATCAA

ACCCCTCTGTTCGTATGGGCAGTCCTAATTACAGCCGTCCTCTTACTTCTCTCTCTCCCCGTCCTTGCAG

CTGGAATCACTATATTACTTACAGACCGAAACCTTAATACCACCTTCTTCGACCCTGCAGGGGGAGGGGA

CCCCATYCTTTACCAACATCTTTTC

>Fish19\_Unknown\_Gut\_contents

CACCCTCTACCTGGTATTTGGTGCTTGAGCAGGAATGGTCGGAACAGCCCTAAGTCTCCTTATCCGGGCC

GAACTGAGCCAACCGGGCTCTCTTCTGGGAGACGACCAAATTTATAATGTAATCGTCACCGCACATGCCT

TCGTAATAATCTTCTTTATAGTAATACCAATTATGATTGGGGGCTTTGGAAACTGACTAATTCCCCTAAT

GATCGGGGCCCCTGATATGGCTTTCCCCCGAATGAACAATATGAGCTTCTGACTCCTCCCCCCATCGTTC

CTCCTTCTCCTTGCCTCTTCAGGCGTTGAAGCCGGGGCAGGAACTGGGTGAACTGTTTATCCCCCCCTGT

CTGGGAACCTCGCCCACGCTGGAGCGTCCGTGGATCTAACCATCTTCTCTCTTCATCTAGCAGGTGTCTC

ATCCATCCTGGGGGCTATCAATTTTATTACTACCATTGTTAACATGAAACCTCCAGCAATCTCACAGTAC

CAGACCCCCTTATTCGTCTGAGCTGTGCTGATCACTGCTGTGCTTCTCCTCCTCTCCCTCCCTGTCCTTG

CTGCTGGCATCACCATGCTACTCACAGACCGAAACCTAAACACCACATTCTTTGACCCTGCAGGAGGGGG

AGACCCAATCCTCTACCAACACCTC

>Fish20\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTACCTGGTATTTGGTGCCTGAGCAGGGATAGTAGGCACTGCCTTAAGTCTCTTAATCCGAGCAGAA

CTGAGTCAACCCGGGGCACTTCTCGGAGACGATCAGATCTACAATGTTATCGTTACGGCGCACGCCTTCG

TAATAATCTTCTTCATAGTAATGCCAATTCTAATTGGCGGCTTTGGGAACTGACTGGTCCCCCTAATGAT

CGGGGCACCAGACATGGCATTCCCGCGAATGAACAACATGAGCTTCTGACTCCTTCCCCCCTCATTCCTC

CTCCTCCTTGCCTCATCTGGAGTTGAAGCAGGGGCAGGGACCGGATGAACAGTCTACCCGCCCTTGGCAG

GCAATCTAGCCCACGCCGGAGCATCGGTCGACCTAACTATTTTCTCCCTCCATCTAGCAGGTATTTCATC

CATTCTTGGGGCCATTAATTTCATTACTACGATTATCAATATGAAACCCCCTGCAATCTCACAGTACCAA

ACACCGCTATTTGTGTGATCCGTGCTTGTAACAGCTGTTCTTCTTCTCCTTTCACTCCCTGTCCTAGCTG

CTGGGATCACAATGCTGCTAACAGATCGAAATCTTAATACGACCTTCTTCGACCCGGCAGGAGGAGGGGA

TCCAATTTTATATCAACACCTGTTC

>Fish21\_Unknown\_Gut\_contents

ATGCAACGATGATTCTTTTCTACAAATCATAAAGACATTGGTACATTATATTTCATTTTTGGAGCATGAT

CTGGGATAGTAGGTACATCACTTAGTTTAATCATTCGAGCTGAACTAGGACAACCTGGAACCCTTATTGG

AAACGACCAAATTTATAACGTTGTAGTCACAGCTCACGCCTTTGTTATAATTTTCTTCATGGTTATACCT

ATTATAATTGGAGGATTTGGTAATTGACTAGTTCCCCTTATACTAGGAGCTCCTGATATAGCCTTCCCAC

GAATAAATAACATAAGATTCTGACTCCTACCTCCATCACTAACTCTATTACTAATAAGGGGTATAGTCGA

AAGTGGAGTTGGTACAGGATGAACTGTTTACCCTCCCCTTGCTGCCGCTATTGCTCACGCAGGGGCCTCA

GTTGATCTTGGTATTTTCTCTCTCCACTTAGCTGGTGTATCATCAATTCTAGGGGCTGTTAACTTTATAA

CTACTGTTATTAATATACGTTCATTTGGTATAAGAATAGACCAAATACCTTTATTCGTTTGATCTGTATT

TATTACCGCTATTCTTCTACTTCTTTCTCTACCTGGATTAGCAGGTGCTATTACTATACTTCTCACTGAT

CGAAACTTAAATACCTCATTCTTCGACCCAGCTGGAGGAGGCGACCCTGTTCTCTACCAACATCTATTCT

GATTTTTCGGGCATCCTGAAGTTTATATTCTTATTTTACCTGCCTTCGGTATAATTTCTCACATTGTGAG

ACAAGAATCAGGTAAAAAAGAATCCTTCGGAACATTAGGCATGATCTATGCTATAATGGCTATTGGTATT

TTAGGATTCATTGTATGAGCCCACCATATGTTTACTGTTGGTATAGACGTAGATACCCGAGCATATTTTA

CTTCCGCTACTATAATCATTGCAGTGCCCACTGGTATTAAAATTTTTAGATGACTTAGAACCCTTCATGG

AACACAAATCAATTATAGACCCTCAATACTTTGAGCTTTAGGTTTTATTTTCCTATTTACTGTAGGAGGG

CTTACTGGAGTAGTACTTGCCAACTCTTCAATTGATATTATCCTACACGACACTTATTATGTAGTCGCCC

ACTTCCACTACGTTCTATCCATGGGTGCTGTATTCGGAATTTTCGCCGGTATCGCTCACTGATTCCCCTT

ATTCACAGGGATATCATTAAATCCTAAGTGAATGAAAATCCACTTTGCCATTATGTTCATTGGAGTAAAT

GTTACATTCTTCCCCCAACACTTCCTAGGGCTTAATGGTATACCTCGTCGATACTCAGACTACCCAGATG

CCTATACTACATGAAACGTAGTATCATCCATAGGATCTATAGTATCTCTTATTGCTATGCTAATCTTTAT

AATTATCATCTGAGAAGCACTTATTTCAAATCGTCCTGTTATATTTTCCCCTTTCCTTCCATCATCCATT

GAATGAAACCACTCTTACCCACCAGCTGATCATTCTTATATAGAAATCCCTCTTATCACTAACT

>Fish22\_Unknown\_Gut\_contents

CTCTACCTGGTATTTGGTGCCTGAGCAGGGATGGTAGGCACTGCCTTAAGTCTCTTAATCCGAGCAGAAC

TGAGCCAACCCGGGGCACTTCTCGGAGACGATCAGATCTATAATGTTATCGTTACGGCGCACGCCTTCGT

AATAATCTTCTTCATAGTAATGCCAATTCTAATTGGCGGCTTTGGGAACTGACTAGTCCCCCTTATGATC

GGGGCACCAGACATGGCATTCCCGCGAATGAACAACATGAGCTTCTGACTCCTTCCCCCCTCATTTCTCC

TCCTCCTTGCCTCATCCGGAGTTGAAGCGGGAGCAGGGACCGGATGAACAGTCTACCCACCTTTGGCAGG

CAATCTAGCTCACGCCGGAGCATCAGTTGATCTAACTATTTTCTCCCTCCACCTAGCAGGTATTTCATCT

ATTCTTGGAGCCATTAATTTCATTACTACAATTATTAACATGAAACCCCCTGCAATTTCACAATACCAAA

CGCCGTTATTTGTATGATCCGTGCTTGTAACAGCTGTTCTTCTTCTCCTTTCACTCCCTGTCTTAGCTGC

TGGAATTACAATACTGCTGACAGATCGAAATCTTAATACGACCTTCTTCGACCCGGCAGGAGGAGGAGAT

CCAATTTTATATCAACACCTGTTC

>Fish23\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTATCTTATTTTCGGTGCCTGAGCAGGAATAGTAGGGACAGCACTTAGCCTCCTTATTCGAGCAGAA

CTAAGCCAACCAGGAGCACTTCTGGGGGACGATCAGATTTACAATGTAATTGTGACTGCTCACGCATTTG

TAATAATCTTTTTTATAGTAATGCCTATCCTAATCGGTGGGTTCGGGAACTGACTGGTCCCCTTAATACT

AGGGGCCCCAGACATAGCATTCCCTCGAATAAATAACATGAGCTTTTGACTCCTTCCTCCATCATTTCTA

CTTCTTCTTGCATCATCTGGGGTTGAAGCAGGGGCCGGAACGGGGTGAACAGTTTACCCCCCTCTAGCAG

GAAATTTAGCCCATGCAGGAGCGTCAGTAGATCTAACAATCTTCTCTCTCCACCTAGCAGGTATCTCATC

AATCTTAGGTGCCATCAACTTTATTACCACTATCATTAACATGAAACCGCCTGCAATCTCACAATATCAG

ACACCTTTATTTGTCTGAGCCGTGTTAATTACAGCAGTACTTTTACTTCTTTCACTTCCTGTTCTAGCTG

CCGGGATTACTATGCTTCTTACAGATCGAAATCTAAATACCACCTTCTTCGACCCAGCAGGGGGAGGAGA

TCCCATTCTTTATCAACACCTATTC

>Fish24\_Unknown\_Gut\_contents

CCTTTATCTAGTATTTGGTGCCTGAGCCGGAATAGTTGGTACGGCCCTAAGCCTACTCATCCGAGCAGAA

CTAAGTCAACCAGGCACCCTCCTGGGCGACGATCAGATTTATAATGTTATCGTAACAGCACATGCCTTTG

TGATAATCTTCTTTATAGTAATACCCCTAATAATTGGAGGTTTCGGAAATTGGCTTGTACCCCTAATAAT

TGGTGCCCCCGATATGGCTTTCCCCCGTATGAATAATATAAGCTTCTGACTGCTCCCCCCCTCCTTCTTA

CTCCTATTGGCATCTTCGGGGGTAGAAGCTGGTGCCGGAACAGGCTGAACAGTTTACCCCCCTCTGGCAA

GTAATCTTGCCCATGCTGGCGCATCCGTAGATCTTACCATCTTCTCATTACACCTAGCAGGTATTTCATC

AATTCTAGGGGCCATTAATTTTATTACTACTATCATCAACATAAAACCCCCTACCACAACCCTATACCAC

ATGCCCCTATTTGTGTGAGCCGTTCTTATTACAGCCGTCCTCCTCCTTCTCTCCCTCCCTGTACTGGCTG

CCGGCATTACTATGCTTCTTACAGACCGAAACCTCAACACCTCCTTCTTTGACCCTTCTGGGGGAGGAGA

TCCCATCCTATACCAACACCTTTTC

>Fish25\_Unknown\_Gut\_contents

ACACGTTGATTTTTCTCAACTAATCACAAAGATATTGGTACCCTTTACCTAGTATTTGGTGCCTGAGCAG

GAATGGTGGGCACAGCCCTAAGTCTCCTAATCCGTGCAGAACTTAGCCAACCTGGGGCTCTCCTTGGAGA

CGACCAGATCTATAATGTTATTGTTACTGCACATGCCTTCGTAATAATTTTCTTTATAGTAATGCCGATT

CTAATTGGAGGGTTTGGAAACTGACTAATTCCTCTTATGATCGGAGCGCCAGATATGGCATTCCCTCGAA

TAAACAATATGAGCTTCTGACTACTTCCCCCCTCATTCCTCCTACTACTAGCCTCCTCCGGAGTTGAAGC

CGGGGCGGGGACCGGGTGAACGGTATATCCTCCTCTGTCAGGAAATCTGGCCCATGCAGGAGCATCAGTT

GACCTAACCATTTTTTCACTTCATCTAGCAGGTATTTCCTCTATTCTAGGGGCCATTAATTTCATTACCA

CAATTATTAATATGAAACCACCCGCAATCTCACAATACCAAACGCCTCTGTTTGTCTGATCCGTTCTTGT

TACAGCTGTTCTACTTCTTCTATCGCTGCCTGTGCTAGCTGCCGGAATTACAATGCTTCTTACAGATCGA

AACCTAAACACCACCTTCTTCGACCCAGCAGGAGGGGGAGACCCAATTCTTTACCAACACCTATTCTGAT

TTTTCGGACACCCGGAAGTATATATTCTAA

>Fish26\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTATCTTATTTTCGGTGCCTGAGCAGGAATAGTAGGGACAGCACTTAGCCTCCTTATTCGAGCAGAA

CTAAGCCAACCAGGAGCACTTCTGGGGGACGATCAGATTTACAATGTAATTGTGACTGCTCACGCATTTG

TAATAATCTTTTTTATAGTAATGCCTATCCTAATCGGTGGGTTCGGGAACTGACTGGTCCCCTTAATACT

AGGGGCCCCAGACATAGCATTCCCTCGAATAAATAACATGAGCTTTTGACTCCTTCCTCCATCATTTCTA

CTTCTTCTTGCATCATCTGGGGTTGAAGCAGGGGCCGGAACGGGGTGAACAGTTTACCCCCCTCTAGCAG

GAAATTTAGCCCATGCAGGAGCGTCAGTAGATCTAACAATCTTCTCTCTCCACCTAGCAGGTATCTCATC

AATCTTAGGTGCCATCAACTTTATTACCACTATCATTAACATGAAACCGCCTGCAATCTCACAATATCAG

ACACCTTTATTTGTCTGAGCCGTGTTAATTACAGCAGTACTTTTACTTCTTTCACTTCCTGTTCTAGCTG

CCGGGATTACTATGCTTCTTACAGATCGAAATCTAAATACCACCTTCTTCGACCCAGCAGGGGGAGGAGA

TCCCATTCTTTATCAACACCTATTC

>Fish27\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTACTTTATTTTTGGTGCCTGGGCCGGAATAATCGGAACCGCTCTGAGCGTGATTATCCGGATTGAG

CTAAGCCAGCCTGGCCCTATGATAGGCGATGACCAGATCTACAATGTCGTAGTCACAGCACATGCCTTTG

TAATAATTTTCTTCATAGTCATGCCAATCCTAATTGGAGGGTTCGGAAATTGACTAGTGCCTTTAATACT

AGGGGCCCCAGATATGGCATTCCCCCGAATGAACAACATAAGCTTCTGACTTCTTCCACCATCCTTCCTG

CTACTCCTAACATCTTCCGCCATCGAAGCTGGTGCCGGAACAGGATGAACTGTTTACCCACCCCTGTCTG

GCAGCCTCGCACACTCGGGGGGCTCCGTAGATTTAGCTATCTTCTCACTTCACCTGGCCGGAATCTCATC

AATCTTAGGGGCAATTAATTTTATTACAACCATTTTTAACATAAAACCTGCTGCTATGACCATCTACCAA

ATGCCACTATTTGTGTGATCCGTACTAATTACCGCCGTCCTACTGCTTCTCTCCCTCCCTGTTCTAGCTG

CCGCCATTACCATGCTCCTCACTGACCGAAATCTAAACACAACCTTCTTTGACCCAGCAGGCGGCGGAGA

CCCGATCCTTTATCAGCACTTA

>Fish28\_Unknown\_Gut\_contents

CACCCTCTACCTGGTATTTGGTGCTTGAGCAGGAATGGTCGGAACAGCCCTAAGTCTCCTTATCCGGGCC

GAACTGAGCCAACCGGGCTCTCTTCTGGGAGACGACCAAATTTATAATGTAATCGTCACCGCACATGCCT

TCGTAATAATCTTCTTTATAGTAATACCAATTATGATTGGGGGCTTTGGAAACTGACTAATTCCCCTAAT

GATCGGGGCCCCTGATATGGCTTTCCCCCGAATGAACAATATGAGCTTCTGACTCCTCCCCCCATCGTTC

CTCCTTCTCCTTGCCTCTTCAGGCGTTGAAGCCGGGGCAGGAACTGGGTGAACTGTTTATCCCCCCCTGT

CTGGGAACCTCGCCCACGCTGGAGCGTCCGTGGATCTAACCATCTTCTCTCTTCATCTAGCAGGTGTCTC

ATCCATCCTGGGGGCTATCAATTTTATTACTACCATTGTTAACATGAAACCTCCAGCAATCTCACAGTAC

CAGACCCCCTTATTCGTCTGAGCTGTGCTGATCACTGCTGTGCTTCTCCTCCTCTCCCTCCCTGTCCTTG

CTGCTGGCATCACCATGCTACTCACAGACCGAAACCTAAACACCACATTCTTTGACCCTGCAGGAGGGGG

AGACCCAATCCTCTACCAACACCTC

>Fish29\_Unknown\_Gut\_contents

CCTATATCTAGTATTTGGCGCTTGAGCTGGTATAGTCGGCACTGCTTTAAGCCTTCTTATTCGAGCAGAG

CTGAGCCAACCGGGCGCCCTCCTTGGCGACGATCAGATCTATAATGTGATCGTTACCGCACACGCATTTG

TAATAATCTTTTTTATAGTTATACCAATTATGATTGGAGGGTTTGGAAACTGACTAATCCCTTTAATGAT

TGGGGCGCCAGACATGGCATTCCCCCGAATAAACAACATGAGTTTTTGACTACTTCCTCCATCTTTCCTT

CTCCTTCTGGCCTCTTCTGGTGTCGAAGCTGGAGCCGGAACCGGCTGAACCGTCTATCCCCCACTTGCAA

GTAACCTTGCACACGCAGGAGCATCCGTAGATTTAACAATTTTCTCCCTCCATCTGGCCGGGATTTCCTC

GATTTTAGGGGCCATTAATTTTATTACAACTATTATTAACATGAAGCCCCCCGCTATCTCCCAATATCAA

ACCCCTCTGTTCGTATGGGCAGTCCTAATTACAGCCGTCCTCTTACTTCTCTCTCTCCCCGTCCTTGCAG

CTGGAATCACTATATTACTTACAGACCGAAACCTTAATACCACCTTCTTCGACCCTGCAGGGGGAGGGGA

CCCCATYCTTTACCAACATCTTTTC

>Fish30\_Unknown\_Gut\_contents

CCTATATCTCGTATTTGGTGCCTGAGCCGGAATAGTCGGTACTGCACTGAGCCTTCTAATCCGTGCCGAA

TTAAGTCAACCAGGCGCCCTTCTTGGAGATGACCAAATTTACAATGTCATCGTCACAGCGCATGCCTTTG

TAATGATTTTCTTTATAGTAATGCCAGTAATAATCGGAGGATTTGGCAACTGACTTGTGCCATTAATAAT

CGGCGCTCCAGACATAGCATTCCCCCGAATAAATAATATAAGCTTCTGACTTTTACCCCCATCATTTCTT

CTACTACTAGCCTCCTCTGGAGTAGAGGCTGGGGCTGGTACAGGCTGAACTGTATATCCACCCCTGGCTG

GAAACTTAGCCCACGCCGGAGCATCTGTTGACCTGACAATTTTCTCACTTCACCTTGCAGGTATCTCATC

AATTCTAGGGGCCATTAATTTTATTACTACAATTATTAACATGAAACCGCCTGCAATTACACAATACCAA

ACTCCCCTGTTCGTATGAGCTGTATTAGTAACCGCTGTTCTGCTACTCCTCTCCCTGCCAGTCCTAGCCG

CAGGCATTACAATACTTCTAACTGACCGAAATCTAAATACAACCTTCTTTGACCCTGCAGGGGGTGGGGA

CCCAATCCTCTACCAACACTTATTC

>Fish31\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTATCTCATATTTGGTGCCTGAGCCGGAATAGTGGGAACAGCCCTGAGTTTACTCATTCGGGCAGAA

CTTAGCCAACCCGGCGCCCTGCTAGGGGACGACCAGATTTATAACGTAATCGTTACTGCACACGCCTTTG

TAATAATCTTTTTTATGGTAATACCAATTATAATCGGAGGGTTTGGGAACTGGCTTATTCCCCTCATAAT

TGGTGCCCCAGATATAGCATTTCCTCGAATAAACAATATAAGCTTTTGACTATTACCTCCTTCATTCCTT

CTTCTTTTAGCTTCCTCGGGTGTTGAAGCTGGTGCCGGTACCGGATGAACTGTCTACCCTCCTTTAGCCA

GCAACCTGGCTCATGCCGGAGCCTCGGTAGATCTAACTATCTTTTCACTTCACCTTGCAGGTATCTCGTC

AATTCTAGGAGCTATCAACTTCATTACTACCATCATTAATATAAAACCAACGACTATGACTATATACCAA

ATACCCTTATTTATTTGGGCCGTACTGATTACAGCTGTCCTCTTACTCCTCTCTCTGCCAGTCCTAGCCG

CTGGCATTACAATACTGCTGACGGACCGGAACCTGAATACAACCTTCTTTGACCCTGCAGGAGGGGGCGA

CCCAATTCTCTACCAACACCTA

>Fish32\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTACCTGGTATTTGGTGCTTGAGCAGGAATGGTCGGAACAGCCCTAAGTCTCCTTATCCGGGCCGAA

CTAAGCCAACCGGGCTCTCTTCTGGGAGACGACCAAATTTATAATGTAATCGTCACCGCACATGCCTTCG

TAATAATCTTCTTTATAGTAATACCAATTATGATTGGGGGCTTTGGAAACTGACTAATTCCCCTAATGAT

CGGGGCCCCCGATATGGCTTTCCCCCGAATGAACAATATGAGCTTCTGACTCCTCCCCCCATCGTTCCTC

CTTCTCCTTGCCTCTTCAGGCGTTGAAGCCGGGGCAGGTACTGGGTGAACTGTTTATCCCCCCCTGTCTG

GGAACCTCGCCCACGCTGGAGCGTCCGTGGATCTAACCATCTTCTCTCTTCATCTAGCAGGTGTCTCATC

CATCCTGGGGGCTATCAATTTTATTACTACCATTGTTAACATGAAACCTCCAGCAATCTCACAGTACCAG

ACCCCCTTATTCGTCTGAGCTGTACTGATCACTGCTGTGCTTCTCCTCCTCTCCCTCCCTGTCCTTGCTG

CTGGCATCACCATGCTACTCACAGACCGAAACCTAAACACCACATTCTTTGACCCTGCAGGAGGGGGAGA

CCCAATCCTCTACCAACACCTC

>Fish33\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTACCTGGTATTTGGTGCCTGAGCAGGGATAGTAGGCACTGCCTTAAGTCTCTTAATCCGAGCAGAA

CTGAGTCAACCCGGGGCACTCCTCGGGGACGATCAGATCTACAATGTTATCGTTACGGCGCACGCCTTCG

TAATAATCTTCTTCATAGTAATGCCAATTCTAATTGGCGGCTTTGGGAACTGACTGGTCCCCCTAATGAT

CGGGGCACCAGACATGGCATTCCCGCGAATGAACAACATGAGCTTCTGACTCCTTCCCCCCTCATTCCTC

CTCCTCCTTGCCTCATCTGGAGTTGAAGCAGGGGCAGGGACCGGATGAACAGTCTACCCACCTTTGGCAG

GCAATCTAGCCCACGCCGGAGCATCGGTCGACCTAACTATTTTCTCCCTCCATCTAGCAGGTATTTCATC

CATTCTTGGGGCCATTAATTTCATTACTACGATTATTAATATGAAACCCCCTGCAATCTCACAATACCAA

ACACCGCTATTTGTGTGATCCGTACTTGTAACAGCTGTTCTTCTTCTCCTTTCACTCCCTGTCTTAGCTG

CTGGGATCACAATGCTGCTAACAGATCGAAATCTTAATACGACCTTCTTCGACCCGGCAGGAGGAGGGGA

TCCAATTTTATATCAACACCTGTTC

>Fish34\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTATCTTATTTTCGGTGCCTGAGCAGGAATAGTAGGGACAGCACTTAGCCTCCTTATTCGAGCAGAA

CTAAGCCAACCAGGAGCACTTCTGGGGGACGATCAGATTTACAATGTAATTGTGACTGCTCACGCATTTG

TAATAATCTTTTTTATAGTAATGCCTATCCTAATCGGTGGGTTCGGGAACTGACTGGTCCCCTTAATACT

AGGGGCCCCAGACATAGCATTCCCTCGAATAAATAACATGAGCTTTTGACTCCTTCCTCCATCATTTCTA

CTTCTTCTTGCATCATCTGGGGTTGAAGCAGGGGCCGGAACGGGGTGAACAGTTTACCCCCCTCTAGCAG

GAAATTTAGCCCATGCAGGAGCGTCAGTAGATCTAACAATCTTCTCTCTCCACCTAGCAGGTATCTCATC

AATCTTAGGTGCCATCAACTTTATTACCACTATCATTAACATGAAACCGCCTGCAATCTCACAATATCAG

ACACCTTTATTTGTCTGAGCCGTGTTAATTACAGCAGTACTTTTACTTCTTTCACTTCCTGTTCTAGCTG

CCGGGATTACTATGCTTCTTACAGATCGAAATCTAAATACCACCTTCTTCGACCCAGCAGGGGGAGGAGA

TCCCATTCTTTATCAACACCTATTC

>Fish35\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTACCTGATTTTTGGTGCATGAGCCGGAATAGTAGGCACAGCCTTGAGCCTCCTAATCCGAGCAGAG

CTTAGCCAACCTGGCTCACTCCTCGGAGATGACCAGATTTATAACGTAATCGTTACAGCACATGCCTTCG

TTATAATTTTCTTTATAGTAATGCCCATCATGATTGGAGGGTTTGGCAACTGACTCATTCCACTAATGAT

CGGAGCCCCCGACATGGCATTTCCTCGAATGAATAATATGAGCTTCTGACTCCTCCCTCCTTCCTTCCTT

CTGCTCCTTACCTCTTCAGGGGTAGAGGCAGGGGCCGGAACAGGGTGAACAGTCTATCCCCCACTCGCCG

GGAACCTTGCACACGCAGGTGCTTCCGTCGACCTGGCCATTTTCTCCCTACACCTCGCAGGTGTTTCATC

AATTCTAGGGGCCATTAATTTTATTACAACCATCGTTAACATGAAACCTCCTGCCATCTCGCAGTACCAG

ACACCTTTATTTGTATGAGCCGTGCTAATTACGGCCGTCCTTCTCCTACTTTCACTCCCTGTATTAGCTG

CTGGCATTACAATGCTTCTTACAGACCGCAACCTAAACACAACCTTCTTCGATCCCGCAGGAGGGGGTGA

TCCCATTCTTTATCAACACTTATTC

>Fish36\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTATCTTATTTTCGGTGCCTGAGCAGGAATAGTAGGGACAGCACTTAGCCTCCTTATTCGAGCAGAA

CTAAGCCAACCAGGAGCACTTCTGGGGGACGATCAGATTTACAATGTAATTGTGACTGCTCACGCATTTG

TAATAATCTTTTTTATAGTAATGCCTATCCTAATCGGTGGGTTCGGGAACTGACTGGTCCCCTTAATACT

AGGGGCCCCAGACATAGCATTCCCTCGAATAAATAACATGAGCTTTTGACTCCTTCCTCCATCATTTCTC

CTTCTTCTTGCATCATCTGGGGTTGAAGCAGGGGCCGGAACGGGGTGAACAGTTTACCCCCCTCTAGCAG

GAAATTTAGCCCATGCAGGAGCGTCAGTAGATCTAACAATCTTCTCTCTCCACCTAGCAGGTATCTCATC

AATCTTAGGTGCCATCAACTTTATTACCACTATCATTAACATGAAACCGCCTGCAATCTCACAATATCAG

ACACCTTTATTTGTCTGAGCCGTGTTAATTACAGCAGTACTTTTACTTCTTTCACTTCCTGTTCTAGCTG

CCGGGATTACTATGCTTCTTACAGATCGAAATCTAAATACCACCTTCTTCGACCCAGCAGGGGGAGGAGA

TCCCATTCTTTATCAACACCTATTC

>Fish37\_Unknown\_Gut\_contents

CCTATATCTCGTATTTGGTGCCTGAGCCGGAATAGTCGGTACTGCACTGAGCCTTCTAATCCGTGCCGAA

TTAAGTCAACCAGGCGCCCTTCTTGGAGATGACCAAATTTACAATGTCATCGTCACAGCGCATGCCTTTG

TAATGATTTTCTTTATAGTAATGCCAGTAATAATCGGAGGATTTGGCAACTGACTTGTGCCATTAATAAT

CGGCGCTCCAGACATAGCATTCCCCCGAATAAATAATATAAGCTTCTGACTTTTACCCCCATCATTTCTT

CTACTACTAGCCTCCTCTGGAGTAGAGGCTGGGGCTGGTACAGGCTGAACTGTATATCCACCCCTGGCTG

GAAACTTAGCCCACGCCGGAGCATCTGTTGACCTGACAATTTTCTCACTTCACCTTGCAGGTATCTCATC

AATTCTAGGGGCCATTAATTTTATTACTACAATTATTAACATGAAACCGCCTGCAATTACACAATACCAA

ACTCCCCTGTTCGTATGAGCTGTATTAGTAACCGCTGTTCTGCTACTCCTCTCCCTGCCAGTCCTAGCCG

CAGGCATTACAATACTTCTAACTGACCGAAATCTAAATACAACCTTCTTTGACCCTGCAGGGGGTGGGGA

CCCAATCCTCTACCAACACTTATTC

>Fish38\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTACCTGGTATTTGGTGCCTGAGCAGGGATAGTAGGCACTGCCTTAAGTCTCTTAATCCGAGCAGAA

CTGAGTCAACCCGGGGCACTTCTCGGAGACGATCAGATCTACAATGTTATCGTTACGGCGCACGCCTTCG

TAATAATCTTCTTCATAGTAATGCCAATTCTAATTGGCGGCTTTGGGAACTGACTGGTCCCCCTAATGAT

CGGGGCACCAGACATGGCATTCCCGCGAATGAACAACATGAGCTTCTGACTCCTTCCCCCCTCATTCCTC

CTCCTCCTTGCCTCATCTGGAGTTGAAGCAGGGGCAGGGACCGGATGAACAGTCTACCCGCCCTTGGCAG

GCAATCTAGCCCACGCCGGAGCATCGGTCGACCTAACTATTTTCTCCCTCCATCTAGCAGGTATTTCATC

CATTCTTGGGGCCATTAATTTCATTACTACGATTATCAATATGAAACCCCCTGCAATCTCACAGTACCAA

ACACCGCTATTTGTGTGATCCGTGCTTGTAACAGCTGTTCTTCTTCTCCTTTCACTCCCTGTCCTAGCTG

CTGGGATCACAATGCTGCTAACAGATCGAAATCTTAATACGACCTTCTTCGACCCGGCAGGAGGAGGGGA

TCCAATTTTATATCAACACCTGTTC

>Fish39\_Unknown\_Gut\_contents

CCTTTATCTAGTATTTGGTGCCTGAGCCGGAATAGTTGGTACGGCCCTAAGCCTACTCATCCGAGCAGAA

CTAAGTCAACCAGGCACCCTCCTGGGCGACGATCAGATTTATAATGTTATCGTAACAGCACATGCCTTTG

TGATAATCTTCTTTATAGTAATACCCCTAATAATTGGAGGTTTCGGAAATTGGCTTGTACCCCTAATAAT

TGGTGCCCCCGATATGGCTTTCCCCCGTATGAATAATATAAGCTTCTGACTGCTCCCCCCCTCCTTCTTA

CTCCTATTGGCATCTTCGGGGGTAGAAGCTGGTGCCGGAACAGGCTGAACAGTTTACCCCCCTCTGGCAA

GTAATCTTGCCCATGCTGGCGCATCCGTAGATCTTACCATCTTCTCATTACACCTAGCAGGTATTTCATC

AATTCTAGGGGCCATTAATTTTATTACTACTATCATCAACATAAAACCCCCTACCACAACCCTATACCAC

ATGCCCCTATTTGTGTGAGCCGTTCTTATTACAGCCGTCCTCCTCCTTCTCTCCCTCCCTGTACTGGCTG

CCGGCATTACTATGCTTCTTACAGACCGAAACCTCAACACCTCCTTCTTTGACCCTTCTGGGGGAGGAGA

TCCCATCCTATACCAACACCTTTTC

>Fish40\_Unknown\_Gut\_contents

CCTNTATNTCATATTTGGTGCCTGAGCCGGAATAGTGGGAACAGCCNTGAGTTTACTCATTCGGGCAGAA

NTTAGCCAACCCGGCGCCCTGCTAGGGGACGACCAGATTTATAACGTAATCGTTACTGCACACGCCTTNG

TAATAATCTTTTTTATGGTAATACCAATTATAATCGGAGGGTTTGGGAACTGGCTTATTCCCCTCATAAT

TGGTGCCCCAGATATAGCATTTCCTCGAATAAACAATATAAGCTTTTGACTATTACCTCCTTCATTCCTT

CTTCTTTTAGCTTCCTCGGGTGTTGAAGCTGGTGCCGGTACCGGATGAACTGTCTACCCTCCTTTAGCCA

GCAACCTGGCTCATGCCGGAGCCTCGGTAGATCTAACTATCTTTTCACTTCACCTTGCAGGTATCTCGTC

AATTCTAGGAGCTATCAACTTCATTACTACCATCATTAATATAAAACCAACGACTATGACTATATACCAA

ATACCCTTATTTATTTGGGCCGTACTGATTACAGCTGTCCTCTTACTCCTCTCTCTGCCAGTCCTAGCCG

CTGGCATTACAATACTGCTGACGGACCGGAACCTGAATACAACCTTCTTTGACCCTGCAGGAGGGGGCGA

CCCAATTCTCTACCAACACCTA

>Fish41\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTATCTTATTTTCGGTGCCTGAGCAGGAATAGTAGGGACAGCACTTAGCCTCCTTATTCGAGCAGAA

CTAAGCCAACCAGGAGCACTTCTGGGGGACGATCAGATTTACAATGTAATTGTGACTGCTCACGCATTTG

TAATAATCTTTTTTATAGTAATGCCTATCCTAATCGGTGGGTTCGGGAACTGACTGGTCCCCTTAATACT

AGGGGCCCCAGACATAGCATTCCCTCGAATAAATAACATGAGCTTTTGACTCCTTCCTCCATCATTTCTC

CTTCTTCTTGCATCATCTGGGGTTGAAGCAGGGGCCGGAACGGGGTGAACAGTTTACCCCCCTCTAGCAG

GAAATTTAGCCCATGCAGGAGCGTCAGTAGATCTAACAATCTTCTCTCTCCACCTAGCAGGTATCTCATC

AATCTTAGGTGCCATCAACTTTATTACCACTATCATTAACATGAAACCGCCTGCAATCTCACAATATCAG

ACACCTTTATTTGTCTGAGCCGTGTTAATTACAGCAGTACTTTTACTTCTTTCACTTCCTGTTCTAGCTG

CCGGGATTACTATGCTTCTTACAGATCGAAATCTAAATACCACCTTCTTCGACCCAGCAGGGGGAGGAGA

TCCCATTCTTTATCAACACCTATTC

>Fish42\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTACCTGGTATTTGGTGCCTGAGCAGGGATAGTAGGCACTGCCTTAAGTCTCTTAATCCGAGCAGAA

CTGAGTCAACCCGGGGCACTTCTCGGAGACGATCAGATCTACAATGTTATCGTTACGGCGCACGCCTTCG

TAATAATCTTCTTCATAGTAATGCCAATTCTAATTGGCGGCTTTGGGAACTGACTGGTCCCCCTAATGAT

CGGGGCACCAGACATGGCATTCCCGCGAATGAACAACATGAGCTTCTGACTCCTTCCCCCCTCATTCCTC

CTCCTCCTTGCCTCATCTGGAGTTGAAGCAGGGGCAGGGACCGGATGAACAGTCTACCCGCCCTTGGCAG

GCAATCTAGCCCACGCCGGAGCATCGGTCGACCTAACTATTTTCTCCCTCCATCTAGCAGGTATTTCATC

CATTCTTGGGGCCATTAATTTCATTACTACGATTATCAATATGAAACCCCCTGCAATCTCACAGTACCAA

ACACCGCTATTTGTGTGATCCGTGCTTGTAACAGCTGTTCTTCTTCTCCTTTCACTCCCTGTCCTAGCTG

CTGGGATCACAATGCTGCTAACAGATCGAAATCTTAATACGACCTTCTTCGACCCGGCAGGAGGAGGGGA

TCCAATTTTATATCAACACCTGTTC

>Fish43\_Unknown\_Gut\_contents

CTATATCTAGTATTTGGCGCTTGAGCTGGTATAGTCGGCACTGCTTTAAGCCTTCTTATTCGAGCAGAGC

TGAGCCAACCGGGCGCCCTCCTTGGCGACGATCAGATCTATAATGTGATCGTTACCGCACACGCATTTGT

AATAATCTTTTTTATAGTTATACCAATTATGATTGGAGGGTTTGGAAACTGACTAATCCCTTTAATGATT

GGGGCGCCAGACATGGCATTCCCCCGAATAAACAACATGAGTTTTTGACTACTTCCTCCATCTTTCCTTC

TCCTTCTGGCCTCTTCTGGTGTCGAAGCTGGAGCCGGAACCGGCTGAACCGTCTATCCCCCACTTGCAAG

TAACCTTGCACACGCAGGAGCATCCGTAGATTTAACAATTTTCTCCCTCCATCTGGCCGGGATTTCCTCG

ATTTTAGGGGCCATTAATTTTATTACAACTATTATTAACATGAAGCCCCCCGCTATCTCCCAATATCAAA

CCCCTCTGTTCGTATGGGCAGTCCTAATTACAGCCGTCCTCTTACTTCTCTCTCTCCCCGTCCTTGCAGC

TGGAATCACTATATTACTTACAGACCGAAACCTTAATACCACCTTCTTCGACCCTGCAGGGGGAGGGGAC

CCCATTCTTTACCAACATCTTTTCTGATTCTTCGGTCACCCTGAA

>Fish44\_Unknown\_Gut\_contents

ACACGTTGATTTTTCTCAACTAATCACAAAGATATTGGTACCCTTTACCTAGTATTTGGTGCCTGAGCAG

GAATGGTGGGCACAGCCCTAAGTCTCCTAATCCGTGCAGAACTTAGCCAACCTGGGGCTCTCCTTGGAGA

CGACCAGATCTATAATGTTATTGTTACTGCACATGCCTTCGTAATAATTTTCTTTATAGTAATGCCGATT

CTAATTGGAGGGTTTGGAAACTGACTAATTCCTCTTATGATCGGAGCGCCAGATATGGCATTCCCTCGAA

TAAACAATATGAGCTTCTGACTACTTCCCCCCTCATTCCTCCTACTACTAGCCTCCTCCGGAGTTGAAGC

CGGGGCGGGGACCGGGTGAACGGTATATCCTCCTCTGTCAGGAAATCTGGCCCATGCAGGAGCATCAGTT

GACCTAACCATTTTTTCACTTCATCTAGCAGGTATTTCCTCTATTCTAGGGGCCATTAATTTCATTACCA

CAATTATTAATATGAAACCACCCGCAATCTCACAATACCAAACGCCTCTGTTTGTCTGATCCGTTCTTGT

TACAGCTGTTCTACTTCTTCTATCGCTGCCTGTGCTAGCTGCCGGAATTACAATGCTTCTTACAGATCGA

AACCTAAACACCACCTTCTTCGACCCAGCAGGAGGGGGAGACCCAATTCTTTACCAACACCTATTCTGAT

TTTTCGGACACCCGGAAGTATATATTCTAA

>Fish45\_Unknown\_Gut\_contents

CCTTTACCTAGTATTTGGTGCCTGAGCAGGGATAGTAGGCACTGCCTTAAGTCTCTTAATCCGAGCAGAA

CTGAGCCAACCCGGGGCACTTCTCGGAGACGATCAGATCTATAACGTCATCGTTACGGCGCACGCCTTCG

TAATAATCTTCTTCATAGTAATGCCAATTCTAATTGGTGGCTTTGGGAACTGACTAGTCCCCCTTATGAT

CGGGGCACCAGACATGGCATTCCCGCGAATGAACAACATGAGCTTCTGACTACTTCCGCCCTCATTCCTC

CTTCTCCTTGCCTCATCCGGGGTTGAGGCCGGGGCAGGAACCGGATGAACAGTCTACCCGCCCTTGGCAG

GCAATCTTGCCCACGCCGGAGCGTCCGTCGATCTAACTATCTTCTCTCTCCATCTAGCAGGTATCTCATC

AATTCTTGGGGCCATTAATTTTATTACCACAATTATTAATATGAAACCCCCTGCAATCTCACAATATCAA

ACACCCCTATTCGTGTGATCCGTGCTCGTAACGGCCGTTCTCCTTCTTCTCTCACTCCCTGTGTTAGCTG

CTGGGATTACAATGCTCCTAACAGACCGAAATCTAAATACGACCTTCTTTGACCCGGCAGGGGGAGGGGA

CCCAATTCTATATCAACACCTAT

>Fish46\_Unknown\_Gut\_contents

ATGCAACGATGATTCTTTTCTACAAATCATAAAGACATTGGTACATTATATTTCATTTTTGGAGCATGAT

CTGGGATAGTAGGTACATCACTTAGTTTAATCATTCGAGCTGAACTAGGACAACCTGGAACCCTTATTGG

AAACGACCAAATTTATAACGTTGTAGTCACAGCTCACGCCTTTGTTATAATTTTCTTCATGGTTATACCT

ATTATAATTGGAGGATTTGGTAATTGACTAGTTCCCCTTATACTAGGAGCTCCTGATATAGCCTTCCCAC

GAATAAATAACATAAGATTCTGACTCCTACCTCCATCACTAACTCTATTACTAATAAGGGGTATGGTCGA

AAGTGGAGTTGGTACAGGATGAACTGTTTACCCTCCCCTTGCTGCCGCTATTGCTCACGCAGGGGCCTCA

GTTGATCTTGGTATTTTCTCTCTCCACTTAGCTGGTGTATCATCAATTCTAGGGGCTGTTAATTTTATAA

CTACCGTTATTAATATACGTTCATTTGGTATAAGAATAGACCAAATACCTTTATTCGTTTGATCTGTATT

TATTACCGCTATTCTTCTACTTCTTTCTCTACCTGGACTAGCAGGTGCTATTACTATACTTCTCACTGAT

CGAAACTTAAATACCTCATTCTTCGACCCAGCTGGAGGAGGCGACCCTGTTCTCTACCAACATCTATTCT

GATTTTTCGGACATCCTGAAGTTTATATTCTTATTTTACCTGCCTTCGGTATAATTTCTCACATTGTGAG

ACAAGAATCAGGTAAAAAAGAATCCTTCGGAACATTAGGCATGATCTATGCTATAATGGCTATTGGTATT

CTAGGATTCATTGTATGAGCCCACCATATGTTTACTGTTGGTATAGACGTAGATACCCGAGCATATTTTA

CTTCCGCTACTATAATCATTGCAGTGCCCACTGGTATTAAAATTTTTAGATGACTTAGAACCCTTCATGG

AACACAAATCAATTATAGACCCTCAATACTCTGAGCTTTAGGTTTTATTTTCCTATTTACTGTAGGGGGG

CTTACTGGAGTAGTACTTGCCAACTCTTCAATTGATATTATCCTACACGACACTTATTATGTAGTCGCCC

ACTTCCACTACGTTCTATCCATGGGTGCTGTATTCGGAATTTTCGCCGGTATCGCTCACTGATTCCCCTT

ATTCACAGGGATATCATTAAATCCTAAATGAATGAAAATCCACTTTGCCATTATGTTCATTGGAGTAAAT

GTTACATTCTTCCCCCAACACTTCCTAGGGCTTAATGGTATACCTCGTCGATACTCAGACTACCCAGATG

CCTATACTACATGAAACGTAGTATCATCCATAGGATCTATAGTATCTCTTATTGCTATGCTAATCTTTAT

AATTATCATCTGAGAAGCACTTATTTCAAATCGTCCTGTTATATTTTCTCCTTTCCTTCCATCATCCATT

GAATGAAACCACTCTTACCCACCAGCTGATCATTCTTATATAGAAATCCCTCTTATCACTAACT

>Fish47\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTATCTTATTTTCGGTGCCTGAGCAGGAATAGTAGGGACAGCACTTAGCCTCCTTATTCGAGCAGAA

CTAAGCCAACCAGGAGCACTTCTGGGGGACGATCAGATTTACAATGTAATTGTGACTGCTCACGCATTTG

TAATAATCTTTTTTATAGTAATGCCTATCCTAATCGGCGGGTTCGGGAACTGACTGGTCCCCTTAATACT

AGGGGCCCCAGACATAGCATTCCCTCGAATAAATAACATGAGCTTTTGACTCCTTCCTCCATCATTTCTC

CTTCTTCTTGCATCATCTGGGGTTGAAGCAGGGGCCGGAACGGGGTGAACAGTTTACCCCCCTCTAGCAG

GAAATTTAGCCCATGCAGGAGCGTCAGTAGATCTAACAATCTTCTCTCTCCACCTAGCAGGTATCTCATC

AATCTTAGGTGCCATCAACTTTATTACCACTATCATTAACATGAAACCGCCTGCAATCTCACAATATCAG

ACACCTTTATTTGTCTGAGCCGTGTTAATTACAGCAGTACTTTTACTTCTTTCACTTCCTGTTCTAGCTG

CCGGGATTACTATACTTCTTACAGATCGAAATCTAAATACCACCTTCTTCGACCCAGCAGGGGGAGGAGA

TCCCATTCTTTATCAACACCTATTC

>Fish48\_Unknown\_Gut\_contents

AACATTATATTTTATATTTGGTGCTTGAGCAGGTATACTAGGAACCTCATTAAGACTTTTAATTCGGTTA

GAACTAAGACAAACTGGAAGTTTATTAGGAAATGACCATATTTATAACGTAATTGTAACCGCACATGCAT

TTGTAATAATTTTTTTCATAGTTATACCTATTATAATTGGAGGATTTGGAAACTGATTAATTCCATTAAT

ATTAGGAGCCCCAGATATAGCTTTCCCTCGAATAAATAATATGAGATTTTGACTTTTACCCCCTTCTTTA

ACTTTATTACTAGTAGGAGGAATAGTAGAAAGAGGAGTTGGTACTGGATGAACTGTGTACCCTCCTTTAT

CTTCAAATATTTCCCATTTAGGGTCTGCTGTGGATCTAAGAATTTTTTCTCTTCATTTAGCTGGAGCTTC

TTCTATTTTAGGTGCTATTAATTTTATTACAACAATTGTTAATATAAAACCATTATATATGGAATTTGAT

TCTATACCATTATTTGTGTGATCAGTATTAATTACAGCAGTACTTTTATTACTATCTTTACCTGTGTTAG

CTGGGGCTATCACTATATTACTTACAGATCGAAATCTTAATACATCATTCTTTGACCCTTTAGGAGGTGG

GGATCCTATCTTATATCAACATTTATTT

>Fish49\_Unknown\_Gut\_contents

TACCCTTTATTTAGTATTTGGTGCCTGAGCCGGTATAGTAGGCACAGCTCTTAGCCTTCTTATTCGGGCG

GAACTAAGCCAACCAGGCTCTCTCCTAGGGGATGACCAAATTTATAATGTAATCGTTACAGCACATGCAT

TTGTAATAATCTTTTTTATAGTTATGCCTATTATAATTGGTGGCTTTGGAAATTGACTAGTCCCTCTTAT

GATTGGTGCCCCAGACATAGCTTTTCCTCGAATAAATAATATAAGCTTCTGACTACTCCCACCCTCATTT

TTACTTCTCTTAGCCTCTTCCGGCGTTGAAGCCGGGGCTGGTACAGGTTGAACAGTCTATCCTCCTCTAG

CAGGTAATTTAGCTCATGCTGGGGCTTCTGTAGATTTAACTATTTTTTCCCTTCACTTAGCTGGTATTTC

ATCAATTTTAGGTGCTATTAATTTTATTACAACTATTATTAATATAAAACCTCCAGCTATCTCCCAATAC

CAAACCCCCCTGTTCGTCTGAGCTGTCTTAATTACTGCTGTACTTCTTCTACTTTCCTTACCAGTTCTTG

CTGCAGGAATTACAATACTGTTAACTGACCGAAATTTAAATACTACATTTTTTGATCCGGCAGGTGGAGG

AGATCCAATTCTATACCAACATTTATTC

>Fish50\_Unknown\_Gut\_contents

CTCTACCTGGTATTTGGTGCCTGAGCAGGGATGGTAGGCACTGCCTTAAGTCTCTTAATCCGAGCAGAAC

TGAGCCAACCCGGGGCACTTCTCGGAGACGATCAGATCTATAATGTTATCGTTACGGCGCACGCCTTCGT

AATAATCTTCTTCATAGTAATGCCAATTCTAATTGGCGGCTTTGGGAACTGACTAGTCCCCCTTATGATC

GGGGCACCAGACATGGCATTCCCGCGAATGAACAACATGAGCTTCTGACTCCTTCCCCCCTCATTTCTCC

TCCTCCTTGCCTCATCCGGAGTTGAAGCGGGAGCAGGGACCGGATGAACAGTCTACCCACCTTTGGCAGG

CAATCTAGCTCACGCCGGAGCATCAGTTGATCTAACTATTTTCTCCCTCCACCTAGCAGGTATTTCATCT

ATTCTTGGAGCCATTAATTTCATTACTACAATTATTAACATGAAACCCCCTGCAATTTCACAATACCAAA

CGCCGTTATTTGTATGATCCGTGCTTGTAACAGCTGTTCTTCTTCTCCTTTCACTCCCTGTCTTAGCTGC

TGGAATTACAATACTGCTGACAGATCGAAATCTTAATACGACCTTCTTCGACCCGGCAGGAGGAGGAGAT

CCAATTTTATATCAACACCTGTTC

>Fish51\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTATCTTATTTTCGGTGCCTGAGCAGGAATAGTAGGGACAGCACTTAGCCTCCTTATTCGAGCAGAA

CTAAGCCAACCAGGAGCACTTCTGGGGGACGATCAGATTTACAATGTAATTGTGACTGCTCACGCATTTG

TAATAATCTTTTTTATAGTAATGCCTATCCTAATCGGCGGGTTCGGGAACTGACTGGTCCCCTTAATACT

AGGGGCCCCAGACATAGCATTCCCTCGAATAAATAACATGAGCTTTTGACTCCTTCCTCCATCATTTCTC

CTTCTTCTTGCATCATCTGGGGTTGAAGCAGGGGCCGGAACGGGGTGAACAGTTTACCCCCCTCTAGCAG

GAAATTTAGCCCATGCAGGAGCGTCAGTAGATCTAACAATCTTCTCTCTCCACCTAGCAGGTATCTCATC

AATCTTAGGTGCCATCAACTTTATTACCACTATCATTAACATGAAACCGCCTGCAATCTCACAATATCAG

ACACCTTTATTTGTCTGAGCCGTGTTAATTACAGCAGTACTTTTACTTCTTTCACTTCCTGTTCTAGCTG

CCGGGATTACTATACTTCTTACAGATCGAAATCTAAATACCACCTTCTTCGACCCAGCAGGGGGAGGAGA

TCCCATTCTTTATCAACACCTATTC

>Fish52\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTACTTTATTTTTGGTGCCTGGGCCGGAATAATCGGAACCGCTCTGAGCGTGATTATCCGGATTGAG

CTAAGCCAGCCTGGCCCTATGATAGGCGATGACCAGATCTACAATGTCGTAGTCACAGCACATGCCTTTG

TAATAATTTTCTTCATAGTCATGCCAATCCTAATTGGAGGGTTCGGAAATTGACTAGTGCCTTTAATACT

AGGGGCCCCAGATATGGCATTCCCCCGAATGAACAACATAAGCTTCTGACTTCTTCCACCATCCTTCCTG

CTACTCCTAACATCTTCCGCCATCGAAGCTGGTGCCGGAACAGGATGAACTGTTTACCCACCCCTGTCTG

GCAGCCTCGCACACTCGGGGGGCTCCGTAGATTTAGCTATCTTCTCACTTCACCTGGCCGGAATCTCATC

AATCTTAGGGGCAATTAATTTTATTACAACCATTTTTAACATAAAACCTGCTGCTATGACCATCTACCAA

ATGCCACTATTTGTGTGATCCGTACTAATTACCGCCGTCCTACTGCTTCTCTCCCTCCCTGTTCTAGCTG

CCGCCATTACCATGCTCCTCACTGACCGAAATCTAAACACAACCTTCTTTGACCCAGCAGGCGGCGGAGA

CCCGATCCTTTATCAGCACTTA

>Fish53\_Unknown\_Gut\_contents

CTATATCTAGTATTTGGCGCTTGAGCTGGTATAGTCGGCACTGCTTTAAGCCTTCTTATTCGAGCAGAGC

TGAGCCAACCGGGCGCCCTCCTTGGCGACGATCAGATCTATAATGTGATCGTTACCGCACACGCATTTGT

AATAATCTTTTTTATAGTTATACCAATTATGATTGGAGGGTTTGGAAACTGACTAATCCCTTTAATGATT

GGGGCGCCAGACATGGCATTCCCCCGAATAAACAACATGAGTTTTTGACTACTTCCTCCATCTTTCCTTC

TCCTTCTGGCCTCTTCTGGTGTCGAAGCTGGAGCCGGAACCGGCTGAACCGTCTATCCCCCACTTGCAAG

TAACCTTGCACACGCAGGAGCATCCGTAGATTTAACAATTTTCTCCCTCCATCTGGCCGGGATTTCCTCG

ATTTTAGGGGCCATTAATTTTATTACAACTATTATTAACATGAAGCCCCCCGCTATCTCCCAATATCAAA

CCCCTCTGTTCGTATGGGCAGTCCTAATTACAGCCGTCCTCTTACTTCTCTCTCTCCCCGTCCTTGCAGC

TGGAATCACTATATTACTTACAGACCGAAACCTTAATACCACCTTCTTCGACCCTGCAGGGGGAGGGGAC

CCCATTCTTTACCAACATCTTTTCTGATTCTTCGGTCACCCTGAA

>Fish54\_Unknown\_Gut\_contents

CCTTTACCTAGTATTTGGTGCCTGAGCAGGGATAGTAGGCACTGCCTTAAGTCTCTTAATCCGAGCAGAA

CTGAGCCAACCCGGGGCACTTCTCGGAGACGATCAGATCTATAACGTCATCGTTACGGCGCACGCCTTCG

TAATAATCTTCTTCATAGTAATGCCAATTCTAATTGGTGGCTTTGGGAACTGACTAGTCCCCCTTATGAT

CGGGGCACCAGACATGGCATTCCCGCGAATGAACAACATGAGCTTCTGACTACTTCCGCCCTCATTCCTC

CTTCTCCTTGCCTCATCCGGGGTTGAGGCCGGGGCAGGAACCGGATGAACAGTCTACCCGCCCTTGGCAG

GCAATCTTGCCCACGCCGGAGCGTCCGTCGATCTAACTATCTTCTCTCTCCATCTAGCAGGTATCTCATC

AATTCTTGGGGCCATTAATTTTATTACCACAATTATTAATATGAAACCCCCTGCAATCTCACAATATCAA

ACACCCCTATTCGTGTGATCCGTGCTCGTAACGGCCGTTCTCCTTCTTCTCTCACTCCCTGTGTTAGCTG

CTGGGATTACAATGCTCCTAACAGACCGAAATCTAAATACGACCTTCTTTGACCCGGCAGGGGGAGGGGA

CCCAATTCTATATCAACACCTAT

>Fish55\_Unknown\_Gut\_contents

CTTTACCTGGTATTTGGTGCTTGAGCTGGAATAGTAGGTACGGCCTTAAGCCTCCTTATTCGAGCTGAAC

TAAGCCAACCTGGCTCTCTTCTGGGAGACGACCAGATCTATAATGTTATCGTCACTGCACATGCTTTTGT

TATAATCTTCTTTATGGTCATGCCAATCATGATTGGAGGGTTTGGAAACTGACTTATCCCCCTTATGATT

GGAGCCCCAGATATGGCATTTCCCCGAATGAATAACATGAGCTTCTGACTCCTCCCCCCATCATTCCTTC

TTCTTCTCGCCTCATCTGGCGTTGAAGCCGGAGCTGGAACAGGGTGAACAGTTTACCCCCCACTATCAGG

AAATCTTGCCCACGCAGGTGCATCTGTAGACCTAACCATCTTCTCCCTTCACCTCGCAGGTGTGTCGTCA

ATCCTTGGGGCTATCAACTTCATCACTACAATTGTTAATATGAAACCCCCCGCAATCTCACAATACCAGA

CACCCCTGTTTGTCTGAGCCGTCCTTATTACTGCCGTGCTCCTTCTCCTCTCTCTTCCTGTTCTCGCTGC

CGGCATCACCATGCTTCTGACAGACCGAAACTTAAATACTACCTTCTTTGACCCGGCCGGG

>Fish56\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTATCTTATTTTCGGTGCCTGAGCAGGAATAGTAGGGACAGCACTTAGCCTCCTTATTCGAGCAGAA

CTAAGCCAACCAGGAGCACTTCTGGGGGACGATCAGATTTACAATGTAATTGTGACTGCTCACGCATTTG

TAATAATCTTTTTTATAGTAATGCCTATCCTAATCGGCGGGTTCGGGAACTGACTGGTCCCCTTAATACT

AGGGGCCCCAGACATAGCATTCCCTCGAATAAATAACATGAGCTTTTGACTCCTTCCTCCATCATTTCTC

CTTCTTCTTGCATCATCTGGGGTTGAAGCAGGGGCCGGAACGGGGTGAACAGTTTACCCCCCTCTAGCAG

GAAATTTAGCCCATGCAGGAGCGTCAGTAGATCTAACAATCTTCTCTCTCCACCTAGCAGGTATCTCATC

AATCTTAGGTGCCATCAACTTTATTACCACTATCATTAACATGAAACCGCCTGCAATCTCACAATATCAG

ACACCTTTATTTGTCTGAGCCGTGTTAATTACAGCAGTACTTTTACTTCTTTCACTTCCTGTTCTAGCTG

CCGGGATTACTATACTTCTTACAGATCGAAATCTAAATACCACCTTCTTCGACCCAGCAGGGGGAGGAGA

TCCCATTCTTTATCAACACCTATTC

>Fish57\_Unknown\_Gut\_contents

CCTATATCTCGTATTTGGTGCCTGAGCCGGAATAGTCGGTACTGCACTGAGCCTTCTAATCCGTGCCGAA

TTAAGTCAACCAGGCGCCCTTCTTGGAGATGACCAAATTTACAATGTCATCGTCACAGCGCATGCCTTTG

TAATGATTTTCTTTATAGTAATGCCAGTAATAATCGGAGGATTTGGCAACTGACTTGTGCCATTAATAAT

CGGCGCTCCAGACATAGCATTCCCCCGAATAAATAATATAAGCTTCTGACTTTTACCCCCATCATTTCTT

CTACTACTAGCCTCCTCTGGAGTAGAGGCTGGGGCTGGTACAGGCTGAACTGTATATCCACCCCTGGCTG

GAAACTTAGCCCACGCCGGAGCATCTGTTGACCTGACAATTTTCTCACTTCACCTTGCAGGTATCTCATC

AATTCTAGGGGCCATTAATTTTATTACTACAATTATTAACATGAAACCGCCTGCAATTACACAATACCAA

ACTCCCCTGTTCGTATGAGCTGTATTAGTAACCGCTGTTCTGCTACTCCTCTCCCTGCCAGTCCTAGCCG

CAGGCATTACAATACTTCTAACTGACCGAAATCTAAATACAACCTTCTTTGACCCTGCAGGGGGTGGGGA

CCCAATCCTCTACCAACACTTATTC

>Fish58\_Unknown\_Gut\_contents

CCTTTACCTAGTATTTGGTGCCTGAGCAGGGATAGTAGGCACTGCCTTAAGTCTCTTAATCCGAGCAGAA

CTGAGCCAACCCGGGGCACTTCTCGGAGACGATCAGATCTATAACGTCATCGTTACGGCGCACGCCTTCG

TAATAATCTTCTTCATAGTAATGCCAATTCTAATTGGTGGCTTTGGGAACTGACTAGTCCCCCTTATGAT

CGGGGCACCAGACATGGCATTCCCGCGAATGAACAACATGAGCTTCTGACTACTTCCGCCCTCATTCCTC

CTTCTCCTTGCCTCATCCGGGGTTGAGGCCGGGGCAGGAACCGGATGAACAGTCTACCCGCCCTTGGCAG

GCAATCTTGCCCACGCCGGAGCGTCCGTCGATCTAACTATCTTCTCTCTCCATCTAGCAGGTATCTCATC

AATTCTTGGGGCCATTAATTTTATTACCACAATTATTAATATGAAACCCCCTGCAATCTCACAATATCAA

ACACCCCTATTCGTGTGATCCGTGCTCGTAACGGCCGTTCTCCTTCTTCTCTCACTCCCTGTGTTAGCTG

CTGGGATTACAATGCTCCTAACAGACCGAAATCTAAATACGACCTTCTTTGACCCGGCAGGGGGAGGGGA

CCCAATTCTATATCAACACCTAT

>Fish59\_Unknown\_Gut\_contents

CCTTTATCTAGTATTTGGTGCCTGAGCCGGAATAGTTGGTACGGCCCTAAGCCTACTCATCCGAGCAGAA

CTAAGTCAACCAGGCACCCTCCTGGGCGACGATCAGATTTATAATGTTATCGTAACAGCACATGCCTTTG

TGATAATCTTCTTTATAGTAATACCCCTAATAATTGGAGGTTTCGGAAATTGGCTTGTACCCCTAATAAT

TGGTGCCCCCGATATGGCTTTCCCCCGTATGAATAATATAAGCTTCTGACTGCTCCCCCCCTCCTTCTTA

CTCCTATTGGCATCTTCGGGGGTAGAAGCTGGTGCCGGAACAGGCTGAACAGTTTACCCCCCTCTGGCAA

GTAATCTTGCCCATGCTGGCGCATCCGTAGATCTTACCATCTTCTCATTACACCTAGCAGGTATTTCATC

AATTCTAGGGGCCATTAATTTTATTACTACTATCATCAACATAAAACCCCCTACCACAACCCTATACCAC

ATGCCCCTATTTGTGTGAGCCGTTCTTATTACAGCCGTCCTCCTCCTTCTCTCCCTCCCTGTACTGGCTG

CCGGCATTACTATGCTTCTTACAGACCGAAACCTCAACACCTCCTTCTTTGACCCTTCTGGGGGAGGAGA

TCCCATCCTATACCAACACCTTTTC

>Fish60\_Unknown\_Gut\_contents

CCTCTACTTTATTTTTGGTGCCTGGGCCGGAATAATCGGAACCGCTCTGAGCGTGATTATCCGGATTGAG

CTAAGCCAGCCTGGCCCTATGATAGGCGATGACCAGATCTACAATGTCGTAGTCACAGCACATGCCTTTG

TAATAATTTTCTTCATAGTCATGCCAATCCTAATTGGAGGGTTCGGAAATTGACTAGTGCCTTTAATACT

AGGGGCCCCAGATATGGCATTCCCCCGAATGAACAACATAAGCTTCTGACTTCTTCCACCATCCTTCCTG

CTACTCCTAACATCTTCCGCCATCGAAGCTGGTGCCGGAACAGGATGAACTGTTTACCCACCCCTGTCTG

GCAGCCTCGCACACTCGGGGGGCTCCGTAGATTTAGCTATCTTCTCACTTCACCTGGCCGGAATCTCATC

AATCTTAGGGGCAATTAATTTTATTACAACCATTTTTAACATAAAACCTGCTGCTATGACCATCTACCAA

ATGCCACTATTTGTGTGATCCGTACTAATTACCGCCGTCCTACTGCTTCTCTCCCTCCCTGTTCTAGCTG

CCGCCATTACCATGCTCCTCACTGACCGAAATCTAAACACAACCTTCTTTGACCCAGCAGGCGGCGGAGA

CCCGATCCTTTATCAGCACTTA